

Table S9. Statistical significance for differences in the allele frequency of LEPR variant among eight sheep populations.

Variant/Breed	DPU	SFKU	SN	MG	Tan	Hu	STH
c.185G>A (Arg62His)							
UM	n.s.	***	*	***	n.s.	n.s.	n.s.
DPU		***	***	***	n.s.	*	n.s.
SFKU			*	***	**	n.s.	*
SN				***	n.s.	n.s.	n.s.
MG					*	***	***
Tan						n.s.	n.s.
Hu							n.s.
c.240C>T (80Asn)							
UM	***	n.s.	*	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
DPU		*	***	***	***	***	***
SFKU			n.s.	n.s.	**	n.s.	*
SN				n.s.	**	n.s.	*
MG					**	n.s.	*
Tan						n.s.	n.s.
Hu							n.s.
c.279C>T (93Ser)							
UM	***	n.s.	*	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
DPU		*	***	***	***	***	***
SFKU			n.s.	n.s.	**	n.s.	*
SN				n.s.	**	n.s.	*
MG					**	n.s.	*
Tan						n.s.	n.s.
Hu							n.s.

*UM: Ujimqin; DPU: Dorper × Ujimqin; SFKU: Suffolk × Ujimqin; SN: Sonid; MG: Mongolia; STH: Small-tailed Han; n.s.: Non-significant; *: $p < 0.05$; **: $p < 0.01$.