

## Supplementary Materials

# Alterations in Gut Microbiota Composition in Patients with COVID-19: A Pilot Study of Whole Hypervariable 16S rRNA Gene Sequencing

Dorota Mańkowska-Wierzbicka, Joanna Zuraszek, Adrianna Wierzbicka, Marcin Gabryel, Dagmara Mahadea, Alina Baturo, Oliwia Zakerska-Banaszak, Ryszard Slomski, Marzena Skrzypczak-Zielinska and Agnieszka Dobrowolska

**Table S1.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the phylum level.

Phylum	COVID-19 patients, <i>n</i> = 8					Controls, <i>n</i> = 14					<i>p</i> -value	<i>p</i> -adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
<i>Verrucomicrobia</i>	0.7378	0.1971	10.3796	0.0496	40.1029	0.0241	0.0160	0.0290	0.0000	0.0923	<b>0.0004</b>	<b>0.0028</b>
{Unknown Phylum}	0.0024	0.0000	0.0055	0.0000	0.0157	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0993	0.2754
<i>Bacteria</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1354	0.6189
<i>Deferribacteres</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0021	0.0000	0.0067	0.0000	0.0251	0.2461	0.6189
<i>Euryarchaeota</i>	60.7832	0.8648	160.0545	0.0883	460.4070	70.0678	10.5173	130.7392	0.0154	520.4754	0.2573	0.6189
<i>Proteobacteria</i>	270.3214	30.2859	150.1309	60.7571	440.7306	330.7927	30.8585	190.3539	0.8767	580.7455	0.2719	0.6189
<i>Bacteroidetes</i>	630.7174	630.6255	140.6559	450.4394	840.0068	560.7847	530.7607	220.4752	170.6835	920.7791	0.2944	0.6189
<i>Firmicutes</i>	10.3297	0.9977	10.4225	0.0716	40.3535	20.2085	10.5965	20.0419	0.1847	60.3288	0.4469	0.6189
<i>Actinobacteria</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.4469	0.6189
<i>Chloroflexi</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.4469	0.6189
<i>Nitrospirae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.6253	0.6189
<i>SHA-109</i>	0.0633	0.0000	0.1357	0.0000	0.3812	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.6605	0.6189
<i>Cyanobacteria</i>	0.0121	0.0000	0.0328	0.0000	0.0931	0.0019	0.0000	0.0050	0.0000	0.0153	0.6849	0.6539
<i>Lentisphaerae</i>	0.0007	0.0000	0.0013	0.0000	0.0032	0.0014	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.7523	0.7678
<i>Fusobacteria</i>	0.0324	0.0000	0.0598	0.0000	0.1516	0.0968	0.0000	0.1891	0.0000	0.4700	0.8924	0.8742
<i>Tenericutes</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Spirochaetae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Synergistetes</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

*SD*—standard deviation; *NA*—not available; *p*-value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test; *p*-adj.—*p* values adjusted with Benjamini–Hochberg false-discovery rate (FDR) for multiple comparisons; red font—statistically significant results (*p* < 0.05).

**Table S2.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the class level.

Class	COVID-19 patients, <i>n</i> = 8					Controls, <i>n</i> = 14					<i>p</i> -value	<i>p</i> -adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
<i>Verrucomicrobiae</i>	0.7316	0.1971	10.3831	0.0251	40.1029	0.0238	0.0160	0.0286	0.0000	0.0923	<b>0.0017</b>	<b>0.0126</b>
{Unknown Phylum}												
<i>Bacteria</i>	0.0014	0.0000	0.0029	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.3997
<i>Cytophagia</i>	0.1470	0.1841	0.0932	0.0143	0.2621	0.0888	0.0314	0.1356	0.0000	0.3998	0.1083	0.5409
<i>Erysipelotrichia</i>	10.1282	10.1296	0.3805	0.2911	10.4662	10.7849	0.5518	20.8593	0.0978	90.8891	0.1423	0.5409
<i>VC20.1 Bac22</i>	0.3792	0.2049	0.4976	0.0107	10.5312	0.1956	0.0473	0.2737	0.0000	0.8772	0.1820	0.5409
<i>Deltaproteobacteria</i>	0.0271	0.0211	0.0284	0.0000	0.0838	0.0194	0.0019	0.0384	0.0000	0.1412	0.1840	0.5409
<i>Epsilonproteobacteria</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2294	0.0000	0.8275	0.0000	30.1036	0.1885	0.5409
<i>Negativicutes</i>	0.3318	0.3440	0.1640	0.0081	0.5639	0.2598	0.1076	0.3600	0.0000	0.9634	0.2066	0.5409
<i>Deferribacteres</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5409
<i>Flavobacteriia</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5409
{Unknown Class}												
<i>Bacteroidetes</i>	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0111	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5409
<i>BD2-02</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.3050	0.6373
<i>Bacilli</i>	0.6528	0.1830	10.4033	0.0175	40.1103	0.3046	0.0662	0.6797	0.0077	20.5801	0.3223	0.6373
{Unknown Class}												
<i>Firmicutes</i>	0.0009	0.0000	0.0016	0.0000	0.0036	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.3311	0.6373
<i>Betaproteobacteria</i>	0.2517	0.1369	0.3425	0.0072	10.0749	0.9576	0.3143	10.4682	0.0077	50.2236	0.3936	0.6373
<i>Bacteroidia</i>	260.7933	290.6565	140.9658	60.4034	440.6102	330.5067	30.5288	190.3503	0.6114	570.8684	0.4325	0.6373
<i>Clostridia</i>	610.6032	610.4062	150.2342	40.1500	820.3551	540.2842	520.3424	20.8636	160.8490	910.5987	0.4325	0.6373
<i>Alphaproteobacteria</i>	0.8228	0.2411	10.0968	0.0000	30.0142	10.1887	0.0134	20.1792	0.0000	60.3184	0.4483	0.6373
<i>Anaerolineae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.5083	0.6373
<i>Methanobacteria</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0018	0.0000	0.0067	0.0000	0.0251	0.5083	0.6373
<i>Nitrospira</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6373
<i>Sphingobacteriia</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0152	0.5083	0.6373
<i>Thermoplasmata</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6373
<i>Uncultured bacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.5083	0.6373
<i>Melainabacteria</i>	0.0633	0.0000	0.1357	0.0000	0.3812	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.5097	0.6373
<i>Actinobacteria</i>	0.8440	0.2839	10.2237	0.0143	30.2455	10.4192	0.7035	10.5873	0.0038	40.8331	0.5167	0.6373
<i>Coriobacteriia</i>	0.4857	0.3626	0.4305	0.0573	10.1080	0.7893	0.3324	0.9334	0.0000	30.1898	0.5618	0.6671
<i>Lentisphaeria</i>	0.0121	0.0000	0.0328	0.0000	0.0931	0.0019	0.0000	0.0050	0.0000	0.0153	0.5770	0.6671
<i>Opitutae</i>	0.0063	0.0000	0.0177	0.0000	0.0501	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.6816	0.7642
<i>Fusobacteriia</i>	0.0007	0.0000	0.0013	0.0000	0.0032	0.0014	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.7226	0.7864
<i>Gammaproteobacteria</i>	50.6816	0.0175	150.7006	0.0000	440.5328	40.6727	0.1321	130.6763	0.0000	50.6354	0.7574	0.8007
<i>Mollicutes</i>	0.0324	0.0000	0.0598	0.0000	0.1516	0.0968	0.0000	0.1891	0.0000	0.4700	0.8742	0.8985
<i>OPB54</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.1509	0.0000	0.5635	0.0000	20.1086	0.9544	0.9544
<i>Chloroplast</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Spirochaetes</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Synergistia</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>VadinHA17</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

SD—standard deviation; NA—not available; *p*-value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test; *p*-adj.—*p* values adjusted with Benjamini–Hochberg FDR for multiple comparisons; red font—statistically significant results ( $p < 0.05$ ).

**Table S3.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the order level.

Order	COVID-19 patients, n = 8					Controls, n = 14					p-value	p- adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
Verrucomicrobiales	0.7296	0.1971	10.3843	0.0092	40.1029	0.0238	0.0160	0.0286	0.0000	0.0923	0.0027	0.1356
Cytophagales	0.3251	0.1953	0.4565	0.0364	10.4389	0.0888	0.0314	0.1356	0.0000	0.3998	0.0314	0.5809
Neisseriales	0.0122	0.0018	0.0296	0.0000	0.0854	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.0365	0.5809
Propionibacteriales	0.0311	0.0035	0.0445	0.0000	0.1109	0.0019	0.0000	0.0058	0.0000	0.0217	0.0504	0.5809
B38	0.0107	0.0000	0.0202	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.5809
Uncultured bacterium	0.4477	0.3193	0.4770	0.0652	10.5312	0.1956	0.0473	0.2737	0.0000	0.8772	0.0697	0.5809
Pasteurellales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0052	0.0000	0.0158	0.1159	0.6450
Burkholderiales	0.2087	0.0886	0.3587	0.0072	10.0749	0.9555	0.3143	10.4697	0.0077	50.2236	0.1618	0.6450
Campylobacteriales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2294	0.0000	0.8275	0.0000	30.1036	0.1885	0.6450
Pseudomonadales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8145	0.0000	30.0433	0.0000	110.3882	0.1885	0.6450
Rhizobiales	0.0225	0.0032	0.0347	0.0000	0.0976	0.0019	0.0000	0.0033	0.0000	0.0077	0.1914	0.6450
Actinomycetales	0.0029	0.0000	0.0083	0.0000	0.0235	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
Corynebacteriales	0.0040	0.0000	0.0113	0.0000	0.0319	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
Deferribacteriales	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
Flavobacteriales	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
{Unknown Class} Bacteroidetes	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0111	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
{Unknown Phylum} Bacteria	0.0010	0.0000	0.0028	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6450
Desulfovibrionales	0.0267	0.0211	0.0288	0.0000	0.0838	0.0194	0.0019	0.0384	0.0000	0.1412	0.2732	0.6517
Kordiimonadales	0.0330	0.0000	0.0918	0.0000	0.2602	0.0096	0.0000	0.0358	0.0000	0.1338	0.2774	0.6517
Thermoanaerobacteriales	0.0149	0.0000	0.0411	0.0000	0.1165	0.0063	0.0000	0.0234	0.0000	0.0876	0.2774	0.6517
Uncultured sediment bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.3050	0.6517
Selenomonadales	0.2906	0.3095	0.1940	0.0081	0.5639	0.2598	0.1076	0.3600	0.0000	0.9634	0.3567	0.6517
Clostridiales	620.7777	610.4062	170.3990	40.1500	910.3483	540.2660	520.3099	20.8667	160.8490	910.5987	0.3568	0.6517
Erysipelotrichales	10.0187	10.1259	0.5006	0.2125	10.4662	10.7849	0.5518	20.8593	0.0978	90.8891	0.3568	0.6517
Bacteroidales	250.9044	290.6565	160.0774	50.8086	440.6102	330.5067	30.5288	190.3503	0.6114	570.8684	0.4325	0.6517
Lactobacillales	0.6005	0.0802	10.3631	0.0046	30.9579	0.1044	0.0490	0.1679	0.0038	0.6424	0.4325	0.6517
Rhodospirillales	0.3963	0.0892	0.5789	0.0000	10.4108	10.1767	0.0058	20.1791	0.0000	60.3184	0.4418	0.6517
Halanaerobiales	0.0737	0.0025	0.1943	0.0000	0.5542	0.0120	0.0000	0.0258	0.0000	0.0815	0.4519	0.6517
Bacillales	0.0191	0.0000	0.0539	0.0000	0.1525	0.2002	0.0000	0.6850	0.0000	20.5763	0.4857	0.6517
Micrococcales	0.0167	0.0040	0.0328	0.0000	0.0952	0.0283	0.0000	0.0751	0.0000	0.2780	0.5023	0.6517
Anaerolineales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.5083	0.6517
Hydrogenophilales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.5083	0.6517
Methanobacteriales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0018	0.0000	0.0067	0.0000	0.0251	0.5083	0.6517
Nitrospirales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6517
Puniceococcales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6517
Sphingobacteriales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0152	0.5083	0.6517
Sphingomonadales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6517
Thermoplasmatales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6517
Uncultured bacterium 05	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.5083	0.6517
Coriobacteriales	0.5005	0.3626	0.4154	0.0736	10.1080	0.7893	0.3324	0.9334	0.0000	30.1898	0.6573	0.8216
RF9	0.0115	0.0000	0.0303	0.0000	0.0864	0.0901	0.0000	0.1791	0.0000	0.4700	0.6956	0.8402
Bifidobacteriales	0.8290	0.2393	10.1963	0.0212	30.1712	10.3891	0.6926	10.5926	0.0038	40.8331	0.7074	0.8402
Fusobacteriales	0.0007	0.0000	0.0013	0.0000	0.0032	0.0014	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.7226	0.8402
{Unknown Class} Firmicutes	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.7844	0.8914
Enterobacteriales	50.6620	0.0123	150.6936	0.0000	440.4962	30.8389	0.0546	130.4746	0.0000	50.6274	0.8623	0.9190
Victivallales	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0019	0.0000	0.0050	0.0000	0.0153	0.8638	0.9190
Xanthomonadales	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0165	0.0000	0.0559	0.0000	0.2097	0.8638	0.9190
Gastranaerophilales	0.0156	0.0000	0.0442	0.0000	0.1251	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.9544	0.9544
NB10n	0.0082	0.0000	0.0231	0.0000	0.0652	0.0067	0.0000	0.0227	0.0000	0.0851	0.9544	0.9544
Uncultured bacterium 04	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.1509	0.0000	0.5635	0.0000	20.1086	0.9544	0.9544
Anaeroplasmatales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Chloroplast transformation vector	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
pL300PrnG10LOCT1												

<i>Chorispora bungeana</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Cocos nucifera</i> (coconut palm)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Fraxinus excelsior</i> (European ash)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Helianthus giganteus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Phoenix dactylifera</i> (date palm)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Portulaca oleracea</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Rickettsiales</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Spirochaetales</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Synergistales</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Syngonanthus chrysanthus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Uncultured bacterium 01	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Uncultured bacterium 03	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Uncultured organism	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
VadinHA64	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

SD—standard deviation; NA—not available; *p*-value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test; *p*-adj.—*p* values adjusted with Benjamini–Hochberg FDR for multiple comparisons; red font—statistically significant results ( $p < 0.05$ ).

**Table S4.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the family level.

Family	COVID-19 patients, <i>n</i> = 8					Controls, <i>n</i> = 14					<i>p</i> - value	<i>p</i> - adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
<i>Verrucomicrobiaceae</i>	0.7759	0.2940	10.3628	0.0496	40.1029	0.0238	0.0160	0.0286	0.0000	0.0923	<b>0.0004</b>	<b>0.0335</b>
<i>Neisseriaceae</i>	0.0179	0.0037	0.0312	0.0000	0.0854	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	<b>0.0091</b>	0.3319
<i>Leuconostocaceae</i>	0.0058	0.0000	0.0104	0.0000	0.0285	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	<b>0.0191</b>	0.3319
<i>Phyllobacteriaceae</i>	0.0077	0.0000	0.0133	0.0000	0.0366	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	<b>0.0191</b>	0.3319
<i>Uncultured bacterium-06</i>	0.0130	0.0000	0.0198	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	<b>0.0191</b>	0.3319
<i>Lachnospiraceae</i>	380.4910	370.9509	70.9057	240.1232	490.4323	290.3338	280.5685	110.9055	60.0064	570.6092	<b>0.0265</b>	0.3848
<i>Clostridiaceae 1</i>	0.6221	0.5478	0.4530	0.0784	10.4514	0.2904	0.1021	0.4307	0.0119	10.3609	<b>0.0316</b>	0.3922
<i>Cytophagaceae</i>	0.1704	0.1953	0.0772	0.0364	0.2621	0.0888	0.0314	0.1356	0.0000	0.3998	0.0515	0.5127
<i>Nocardiaceae</i>	0.0060	0.0000	0.0119	0.0000	0.0319	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.5127
<i>PAUC34f</i>	0.0009	0.0000	0.0018	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.5127
{Unknown Family} <i>Bacteroidales</i>	0.0016	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.5127
<i>Uncultured bacterium-02</i>	0.4219	0.2925	0.4757	0.0652	10.5312	0.1956	0.0473	0.2737	0.0000	0.8772	0.0809	0.5612
<i>Peptostreptococcaceae</i>	10.2765	0.1600	20.7242	0.0071	70.8880	10.4430	0.7267	20.3884	0.0038	80.9284	0.0945	0.5612
<i>Kordiimonadaceae</i>	0.0492	0.0000	0.0966	0.0000	0.2602	0.0096	0.0000	0.0358	0.0000	0.1338	0.1046	0.5612
<i>Pasteurellaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0052	0.0000	0.0158	0.1159	0.5612
<i>Erysipelotrichaceae</i>	10.1570	10.2447	0.3857	0.2911	10.4662	10.7849	0.5518	20.8593	0.0978	90.8891	0.1246	0.5612
<i>Streptococcaceae</i>	0.8009	0.1327	10.3640	0.0064	30.7607	0.0526	0.0367	0.0646	0.0000	0.2346	0.1246	0.5612
<i>Prevotellaceae</i>	0.7822	0.5013	0.9208	0.0000	20.8523	50.7599	20.0447	80.8387	0.0072	270.7800	0.1423	0.5612
<i>Propionibacteriaceae</i>	0.0173	0.0000	0.0315	0.0000	0.0841	0.0019	0.0000	0.0058	0.0000	0.0217	0.1778	0.5612
<i>Veillonellaceae</i>	0.2593	0.2688	0.1903	0.0041	0.5516	0.1755	0.0644	0.2683	0.0000	0.8421	0.1827	0.5612
<i>Desulfovibrionaceae</i>	0.0270	0.0211	0.0285	0.0000	0.0838	0.0194	0.0019	0.0384	0.0000	0.1412	0.1840	0.5612
<i>Campylobacteraceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2294	0.0000	0.8275	0.0000	30.1036	0.1885	0.5612
<i>Uncultured</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0068	0.0000	0.0175	0.0000	0.0642	0.1885	0.5612
<i>Actinomycetaceae</i>	0.0029	0.0000	0.0083	0.0000	0.0235	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Aerococcaceae</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Flavobacteriaceae</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>ML635f-40 aquatic group</i>	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Rs-D42</i>	0.0054	0.0000	0.0152	0.0000	0.0430	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Thermoanaerobacteraceae</i>	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Uncultured Bacillales bacterium</i>	0.0062	0.0000	0.0174	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Uncultured Firmicutes bacterium</i>	0.0018	0.0000	0.0050	0.0000	0.0141	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Unidentified</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
{Unknown Class} <i>Bacteroidetes</i>	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0111	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
{Unknown Phylum} <i>Bacteria</i>	0.0010	0.0000	0.0028	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.5612
<i>Enterococcaceae</i>	0.0316	0.0000	0.0628	0.0000	0.1687	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.2299	0.5715
<i>Bradyrhizobiaceae</i>	0.0157	0.0000	0.0235	0.0000	0.0610	0.0014	0.0000	0.0029	0.0000	0.0077	0.2583	0.6242
<i>Peptococcaceae</i>	0.0013	0.0000	0.0026	0.0000	0.0071	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.2774	0.6522
<i>Bacillaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0291	0.0000	0.0836	0.0000	0.3029	0.3050	0.6633
<i>Moraxellaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0028	0.0000	0.0080	0.3050	0.6633
<i>Uncultured sediment bacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.3050	0.6633
<i>Rhodospirillaceae</i>	0.4839	0.2362	0.5640	0.0000	10.4108	10.1767	0.0058	20.1791	0.0000	60.3184	0.3276	0.6951
<i>Christensenellaceae</i>	0.3832	0.1579	0.4826	0.0183	10.3839	0.7822	0.5379	10.0825	0.0000	40.2518	0.4324	0.7103
<i>S24-7</i>	0.2614	0.1705	0.2158	0.0366	0.6101	0.2418	0.0549	0.2731	0.0098	0.8638	0.4325	0.7103
<i>Acidaminococcaceae</i>	0.1189	0.0823	0.1313	0.0000	0.3084	0.0843	0.0140	0.1358	0.0000	0.3732	0.4665	0.7103
<i>Defluviitaleaceae</i>	0.0604	0.0437	0.0522	0.0107	0.1618	0.0817	0.0378	0.1412	0.0000	0.4489	0.4723	0.7103
<i>Ruminococcaceae</i>	160.9835	170.8042	70.4216	50.4500	30.1650	220.2637	220.4142	130.4185	20.1080	490.6346	0.4736	0.7103
<i>VadinBB60</i>	0.0283	0.0000	0.0800	0.0000	0.2263	0.0274	0.0000	0.0685	0.0000	0.2308	0.4857	0.7103

Anaerolineaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.5083	0.7103
Carnobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7103
Family XI-02	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.7103
Hydrogenophilaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.5083	0.7103
Methanobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0018	0.0000	0.0067	0.0000	0.0251	0.5083	0.7103
Methylobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7103
Nitrospiraceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7103
Paenibacillaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0027	0.0000	0.0102	0.0000	0.0383	0.5083	0.7103
Pseudomonadaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8134	0.0000	30.0436	0.0000	110.3882	0.5083	0.7103
Puniceicoccaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7103
Sphingobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0152	0.5083	0.7103
Sphingomonadaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7103
Thermoplasmatales Incertae Sedis	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.7103
Uncultured bacterium-07	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.5083	0.7103
Uncultured bacterium-08	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0061	0.0000	0.0227	0.0000	0.0851	0.5083	0.7103
Family XIII	0.0315	0.0267	0.0299	0.0041	0.0980	0.0400	0.0106	0.0607	0.0000	0.2051	0.5143	0.7103
Oxalobacteraceae	0.0015	0.0000	0.0030	0.0000	0.0081	0.1317	0.0000	0.4917	0.0000	10.8399	0.5770	0.7843
Alcaligenaceae	0.2372	0.1349	0.3502	0.0072	10.0749	0.8238	0.1918	10.4666	0.0000	50.2236	0.6087	0.8024
Porphyromonadaceae	40.0848	40.0886	20.0206	0.4653	60.7497	50.3344	40.7000	40.4557	0.0308	120.8743	0.6087	0.8024
Uncultured bacterium-05	0.0009	0.0000	0.0018	0.0000	0.0049	0.1509	0.0000	0.5635	0.0000	20.1086	0.6481	0.8240
Micrococcaceae	0.0138	0.0030	0.0329	0.0000	0.0952	0.0283	0.0000	0.0751	0.0000	0.2780	0.6547	0.8240
Coriobacteriaceae	0.5094	0.3626	0.4081	0.0736	10.1080	0.7893	0.3324	0.9334	0.0000	30.1898	0.6573	0.8240
Family III	0.0146	0.0000	0.0412	0.0000	0.1165	0.0063	0.0000	0.0234	0.0000	0.0876	0.6816	0.8240
Uncultured organism-02	0.0020	0.0000	0.0056	0.0000	0.0159	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.6816	0.8240
Uncultured bacterium-09	0.0080	0.0000	0.0204	0.0000	0.0582	0.0807	0.0000	0.1680	0.0000	0.4700	0.6956	0.8240
Bacteroidaceae	210.0875	210.2925	140.0068	30.0512	40.1683	190.5739	160.7984	140.7254	0.2653	430.1085	0.7074	0.8240
Rikenellaceae	10.2424	10.0539	0.7147	0.1596	20.5915	20.5900	10.3893	30.4216	0.0152	120.0497	0.7074	0.8240
Lactobacillaceae	0.0186	0.0000	0.0352	0.0000	0.0956	0.0509	0.0000	0.1679	0.0000	0.6321	0.7103	0.8240
{Unknown Family} Clostridiales	0.0015	0.0000	0.0028	0.0000	0.0065	0.0030	0.0000	0.0092	0.0000	0.0342	0.7226	0.8272
Halanaerobiaceae	0.0719	0.0000	0.1950	0.0000	0.5542	0.0120	0.0000	0.0258	0.0000	0.0815	0.7727	0.8425
CFT112H7	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.7844	0.8425
Fusobacteriaceae	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.7844	0.8425
Uncultured organism-03	0.0013	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0095	0.0000	0.0354	0.0000	0.1326	0.7844	0.8425
{Unknown Class} Firmicutes	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.7844	0.8425
Enterobacteriaceae	80.4430	0.0175	160.4994	0.0000	440.4962	30.8389	0.0546	130.4746	0.0000	50.6274	0.8082	0.8575
Victivallaceae	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0019	0.0000	0.0050	0.0000	0.0153	0.8638	0.8849
Xanthomonadaceae	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0165	0.0000	0.0559	0.0000	0.2097	0.8638	0.8849
Bifidobacteriaceae	0.9722	0.3390	10.1781	0.0212	30.1712	10.3891	0.6926	10.5926	0.0038	40.8331	0.8645	0.8849
Uncultured bacterium-04	0.0156	0.0000	0.0442	0.0000	0.1251	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.9544	0.9653
Planococcaceae	0.0286	0.0000	0.0567	0.0000	0.1525	0.1683	0.0000	0.5953	0.0000	20.2351	0.9653	0.9653
Anaeroplasmataceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
BS11 gut group	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Burkholderiaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Chloroplast transformation vector pL3-PrmG10L-CT1	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Chorispora bungeana	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Cocos nucifera (coconut palm)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Cryomorphaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Eubacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Family XI-01	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Fraxinus excelsior (European ash)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Helianthus giganteus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
Mitochondria	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

<i>NS9 marine group</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>PeH15</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Phoenix dactylifera</i> (date palm)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Portulaca oleracea</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Rhodobiaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Spirochaetaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Synergistaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Syngonanthus chrysanthus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-01</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-03</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-10</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured organism-01</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured rumen bacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

SD—standard deviation; NA—not available; *p*-value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test; *p*-adj.—*p* values adjusted with Benjamini–Hochberg FDR for multiple comparisons; red font—statistically significant results ( $p < 0.05$ ).

**Table S5.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the genus level.

Genus	COVID-19 patients, <i>n</i> = 8					Controls, <i>n</i> = 14					<i>p</i> - value	<i>p</i> - adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
<i>Akkermansia</i>	0.7316	0.1971	10.3831	0.0251	40.1029	0.0238	0.0160	0.0286	0.0000	0.0923	0.0017	0.3093
<i>Neisseria</i>	0.0136	0.0037	0.0292	0.0000	0.0854	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.0117	0.6507
<i>Bifilophila</i>	0.0215	0.0125	0.0275	0.0000	0.0838	0.0044	0.0000	0.0089	0.0000	0.0251	0.0178	0.6507
<i>Adlercreutzia</i>	0.0029	0.0000	0.0050	0.0000	0.0143	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0191	0.6507
<i>Blautia</i>	80.5187	70.9408	50.2602	10.7165	160.9819	40.2086	30.4824	20.6461	0.2433	80.8204	0.0518	0.6507
<i>Enterorhabdus</i>	0.0187	0.0060	0.0389	0.0000	0.1139	0.0017	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.0574	0.6507
<i>Epulopiscium</i>	0.2171	0.2214	0.1755	0.0179	0.5076	0.0951	0.0484	0.1149	0.0000	0.3754	0.0602	0.6507
<i>Anaerostipes</i>	10.9278	20.0260	10.3330	0.1718	30.3236	0.9981	0.6294	0.9267	0.0543	20.9183	0.0605	0.6507
<i>Gordonibacter</i>	0.0008	0.0000	0.0016	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
<i>Leuconostoc</i>	0.0035	0.0000	0.0085	0.0000	0.0244	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
<i>Marcovinbryantia</i>	0.0009	0.0000	0.0017	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
<i>Phyllobacterium</i>	0.0054	0.0000	0.0128	0.0000	0.0366	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
Uncultured Bacillales bacterium	0.0097	0.0000	0.0189	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
Uncultured bacterium-17	0.0107	0.0000	0.0202	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
{Unknown Family} Bacteroidales	0.0016	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
{Unknown Phylum} Bacteria	0.0014	0.0000	0.0029	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6507
Incertae Sedis-05	0.3064	0.0301	0.5335	0.0035	10.2988	0.6742	0.3148	10.0278	0.0038	30.7574	0.0705	0.6507
<i>Kordiimonas</i>	0.0952	0.0000	0.1863	0.0000	0.4976	0.0096	0.0000	0.0358	0.0000	0.1338	0.0847	0.6507
<i>Turcibacter</i>	0.1523	0.1137	0.1641	0.0000	0.4580	0.2521	0.0081	0.8683	0.0000	30.2669	0.0893	0.6507
Uncultured-01	0.0645	0.0326	0.0845	0.0000	0.2466	0.0150	0.0000	0.0232	0.0000	0.0748	0.0921	0.6507
<i>Hymenobacter</i>	0.1470	0.1841	0.0932	0.0143	0.2621	0.0888	0.0314	0.1356	0.0000	0.3998	0.1083	0.6507
<i>Megasphaera</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0195	0.0000	0.0490	0.0000	0.1676	0.1159	0.6507
Incertae Sedis-06	0.5949	0.4226	0.7282	0.0785	20.3636	0.3076	0.2367	0.2626	0.0197	0.9136	0.1246	0.6507
<i>Streptococcus</i>	0.5465	0.1254	10.1714	0.0064	30.4273	0.0512	0.0312	0.0653	0.0000	0.2346	0.1246	0.6507
<i>Megamonas</i>	0.0051	0.0000	0.0092	0.0000	0.0251	0.0136	0.0000	0.0511	0.0000	0.1910	0.1282	0.6507
<i>Quinella</i>	0.0281	0.0000	0.0747	0.0000	0.2127	0.0160	0.0000	0.0599	0.0000	0.2243	0.1282	0.6507
<i>Phascolarctobacterium</i>	0.0973	0.0140	0.1325	0.0000	0.3084	0.0482	0.0000	0.1086	0.0000	0.3486	0.1286	0.6507
Uncultured-03	0.0232	0.0000	0.0632	0.0000	0.1795	30.4522	0.0154	70.7409	0.0000	220.2001	0.1354	0.6507
<i>Propionibacterium</i>	0.0173	0.0000	0.0315	0.0000	0.0841	0.0019	0.0000	0.0058	0.0000	0.0217	0.1778	0.6507
<i>Flavonifractor</i>	0.0096	0.0028	0.0161	0.0000	0.0468	0.0042	0.0000	0.0097	0.0000	0.0344	0.1802	0.6507
Uncultured bacterium-05	0.3792	0.2049	0.4976	0.0107	10.5312	0.1956	0.0473	0.2737	0.0000	0.8772	0.1820	0.6507
<i>Clostridium sensu stricto</i> 1	0.4751	0.3941	0.4250	0.0143	10.3289	0.2884	0.1021	0.4319	0.0119	10.3609	0.1832	0.6507
<i>Acidaminococcus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0361	0.0000	0.1015	0.0000	0.3732	0.1885	0.6507
<i>Butyrivibrio</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0938	0.0000	0.3057	0.0000	10.1468	0.1885	0.6507
<i>Campylobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2294	0.0000	0.8275	0.0000	30.1036	0.1885	0.6507
<i>Intestinimonas</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0025	0.0000	0.0053	0.0000	0.0166	0.1885	0.6507
<i>Paraprevotella</i>	0.4089	0.0216	0.9655	0.0000	20.7796	0.1011	0.0000	0.3611	0.0000	10.3552	0.1914	0.6507
<i>Roseburia</i>	30.1997	30.3612	10.3374	10.5369	40.8095	20.3465	20.0347	10.8365	0.0000	60.7251	0.2067	0.6507
Uncultured-02	10.0196	10.0823	0.5698	0.0797	10.6723	0.7509	0.4706	0.8545	0.0000	20.6009	0.2067	0.6507
Uncultured-14	0.6336	0.6336	0.4609	0.0924	10.4292	0.3819	0.4188	0.2743	0.0000	0.7725	0.2067	0.6507
<i>Actinomyces</i>	0.0015	0.0000	0.0042	0.0000	0.0118	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Arcanobacterium</i>	0.0010	0.0000	0.0028	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Cetobacterium</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Fructobacillus</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Gelria</i>	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Ignavigranum</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Paludibacter</i>	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Rhodococcus</i>	0.0040	0.0000	0.0113	0.0000	0.0319	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Selenomonas</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
<i>Trueperella</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured Bacteroidetes bacterium-01	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured Firmicutes bacterium	0.0018	0.0000	0.0050	0.0000	0.0141	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507



Uncultured bacterium-08	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured bacterium-09	0.0054	0.0000	0.0152	0.0000	0.0430	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured bacterium-21	0.0031	0.0000	0.0089	0.0000	0.0251	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured rumen bacterium-01	0.0190	0.0000	0.0538	0.0000	0.1521	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured-04	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Uncultured-11	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Unidentified	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
{Unknown Class} Bacteroidetes	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0111	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
{Unknown Genus} Puniceicoccaceae	0.0031	0.0000	0.0089	0.0000	0.0251	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6507
Eggerthella	0.0032	0.0000	0.0066	0.0000	0.0183	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.2299	0.6570
Uncultured organism-05	0.0058	0.0000	0.0114	0.0000	0.0304	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.2299	0.6570
Faecalibacterium	50.8263	30.2673	50.0413	0.4675	130.2204	80.0863	60.6540	50.8374	0.0103	190.9471	0.2323	0.6570
Parasutterella	0.0450	0.0097	0.0817	0.0000	0.2416	0.4396	0.0000	10.3889	0.0000	50.2236	0.2480	0.6900
Collinsella	0.3948	0.2274	0.3823	0.0537	10.0049	0.7230	0.3194	0.8757	0.0000	30.1648	0.2601	0.6900
Allisonella	0.0186	0.0000	0.0352	0.0000	0.0943	0.0089	0.0000	0.0304	0.0000	0.1142	0.2851	0.6900
Sarcina	0.0166	0.0000	0.0429	0.0000	0.1226	0.0020	0.0000	0.0051	0.0000	0.0150	0.2851	0.6900
Lachnospira	0.1477	0.0779	0.1980	0.0073	0.6050	0.2000	0.0115	0.3851	0.0000	10.1634	0.2887	0.6900
Prevotella	0.3772	0.2911	0.3969	0.0000	10.2214	10.5949	10.2171	20.0188	0.0000	70.3474	0.2896	0.6900
Uncultured-12	0.9595	0.1061	20.2829	0.0035	60.5892	0.7679	0.2340	10.3821	0.0000	50.1710	0.2900	0.6900
Thalassospira	0.7103	0.2362	0.9180	0.0000	20.5166	10.1767	0.0058	20.1791	0.0000	60.3184	0.2942	0.6900
Acetitomaculum	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0017	0.0000	0.0053	0.0000	0.0198	0.3050	0.6900
Acinetobacter	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0028	0.0000	0.0080	0.3050	0.6900
Bacillus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0134	0.0000	0.0343	0.0000	0.1047	0.3050	0.6900
Citrobacter	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	10.4287	0.0000	50.3446	0.0000	190.9980	0.3050	0.6900
Sporosarcina	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1605	0.0000	0.5971	0.0000	20.2351	0.3050	0.6900
Uncultured bacterium-13	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0007	0.0000	0.0017	0.0000	0.0052	0.3050	0.6900
Uncultured organism-02	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0022	0.0000	0.0058	0.0000	0.0192	0.3050	0.6900
Uncultured sediment bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.3050	0.6900
Dialister	0.1817	0.0947	0.2124	0.0000	0.5516	0.1116	0.0141	0.2241	0.0000	0.8310	0.3106	0.6940
Incertae Sedis-07	0.3284	0.0770	0.4724	0.0000	10.2774	0.1643	0.0078	0.3693	0.0000	10.3621	0.3146	0.6943
Dorea	0.5130	0.4244	0.4152	0.0251	10.3553	0.4172	0.1297	0.5733	0.0241	10.8990	0.3223	0.6968
Alloprevotella	0.0007	0.0000	0.0020	0.0000	0.0056	0.6116	0.0000	10.6893	0.0000	60.3646	0.3291	0.6968
Pantoea	0.0079	0.0000	0.0154	0.0000	0.0407	0.9089	0.0000	30.4008	0.0000	120.7247	0.3311	0.6968
{Unknown Class} Firmicutes	0.0009	0.0000	0.0016	0.0000	0.0036	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.3311	0.6968
Desulfovibrio	0.0056	0.0000	0.0158	0.0000	0.0448	0.0150	0.0000	0.0377	0.0000	0.1412	0.3388	0.7048
Butyrlicimonas	0.0128	0.0107	0.0095	0.0000	0.0251	0.0644	0.0239	0.1042	0.0000	0.3957	0.3541	0.7097
Incertae Sedis-04	110.3662	10.5632	50.3767	30.6263	170.9951	10.0430	80.0470	60.9700	30.7396	30.4944	0.3936	0.7097
Moryella	0.0062	0.0000	0.0126	0.0000	0.0366	0.0468	0.0049	0.1465	0.0000	0.5547	0.4123	0.7097
Alistipes	10.0468	10.0355	0.7772	0.1596	20.5915	20.5779	10.3893	30.4270	0.0152	120.0497	0.4325	0.7097
Uncultured bacterium-02	0.2501	0.1299	0.2220	0.0366	0.6101	0.2418	0.0549	0.2731	0.0098	0.8638	0.4325	0.7097
Anaerotruncus	0.1773	0.1132	0.2061	0.0000	0.5711	0.2332	0.0038	0.4597	0.0000	10.4581	0.4579	0.7097
Bifidobacterium	0.7704	0.1967	10.1728	0.0000	30.0244	10.2798	0.6692	10.4487	0.0038	40.1488	0.4736	0.7097
Uncultured-09	0.0267	0.0184	0.0320	0.0000	0.0980	0.0312	0.0094	0.0553	0.0000	0.2051	0.4906	0.7097
Halocella	0.0724	0.0018	0.1948	0.0000	0.5542	0.0120	0.0000	0.0258	0.0000	0.0815	0.5009	0.7097
Anaerosporeobacter	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7097
Candidatus Methanomethylophilus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.7097
Carnobacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7097
Cerasibacillus	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0077	0.5083	0.7097
Dialister sp. oral taxon 502	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0030	0.0000	0.0112	0.5083	0.7097
Ferritrophicum	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.5083	0.7097
Fusobacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
Holdemania	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.7097
Howardella	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7097
Incertae Sedis-01	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.7097
Marine group	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.7097
Methanobrevibacter	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.7097

<i>Methanospaera</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.7097
<i>Methylobacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
<i>Mitsuokella</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.7097
<i>Mucilaginibacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
<i>Nitrospira</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
<i>Oceanobacillus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0016	0.0000	0.0061	0.0000	0.0230	0.5083	0.7097
<i>Oxalobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.7097
<i>Paenibacillus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0027	0.0000	0.0102	0.0000	0.0383	0.5083	0.7097
<i>Parvimonas</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.7097
<i>Pediococcus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0155	0.5083	0.7097
<i>Pedobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
<i>Pseudomonas</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8134	0.0000	30.0436	0.0000	110.3882	0.5083	0.7097
<i>Solobacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0233	0.0000	0.0871	0.0000	0.3259	0.5083	0.7097
<i>Sphingomonas</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.7097
<i>Uncultured bacterium-03</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0046	0.0000	0.0171	0.0000	0.0642	0.5083	0.7097
<i>Uncultured bacterium-18</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.5083	0.7097
<i>Uncultured bacterium-19</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0061	0.0000	0.0227	0.0000	0.0851	0.5083	0.7097
<i>Uncultured-05</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.5083	0.7097
<i>Uncultured-06</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0136	0.0000	0.0507	0.0000	0.1898	0.5083	0.7097
<i>Uncultured-15</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0106	0.0000	0.0396	0.5083	0.7097
{Unknown Genus} <i>Peptostreptococcaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.7097
<i>Uncultured bacterium-07</i>	0.0443	0.0000	0.0866	0.0000	0.2291	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.5097	0.7097
<i>Coprobacter</i>	0.0195	0.0028	0.0335	0.0000	0.0874	0.0295	0.0143	0.0436	0.0000	0.1464	0.5424	0.7317
<i>Edwardsiella</i>	0.0319	0.0000	0.0876	0.0000	0.2486	0.0097	0.0000	0.0309	0.0000	0.1161	0.5427	0.7317
<i>RC9 gut group</i>	0.0020	0.0000	0.0058	0.0000	0.0163	0.0121	0.0000	0.0252	0.0000	0.0704	0.5428	0.7317
<i>Slackia</i>	0.0008	0.0000	0.0023	0.0000	0.0064	0.0493	0.0000	0.1771	0.0000	0.6645	0.5428	0.7317
<i>Haemophilus</i>	0.0087	0.0000	0.0247	0.0000	0.0698	0.0028	0.0000	0.0052	0.0000	0.0158	0.5458	0.7317
<i>Uncultured-08</i>	0.0346	0.0249	0.0253	0.0056	0.0758	0.0249	0.0269	0.0247	0.0000	0.0774	0.5607	0.7462
<i>Incertae Sedis-03</i>	0.0015	0.0000	0.0029	0.0000	0.0075	0.0029	0.0000	0.0096	0.0000	0.0361	0.5770	0.7567
<i>Victivallis</i>	0.0121	0.0000	0.0328	0.0000	0.0931	0.0019	0.0000	0.0050	0.0000	0.0153	0.5770	0.7567
<i>Catenibacterium</i>	0.0140	0.0000	0.0373	0.0000	0.1060	0.9629	0.0000	20.6796	0.0000	90.5507	0.5916	0.7704
{Unknown Genus} <i>Lachnospiraceae</i>	0.0164	0.0000	0.0427	0.0000	0.1220	0.0531	0.0000	0.1732	0.0000	0.6498	0.6018	0.7759
<i>Parabacteroides</i>	0.3905	0.1903	0.4134	0.0337	10.1862	0.3202	0.2364	0.3182	0.0000	0.9683	0.6086	0.7759
<i>Subdoligranulum</i>	10.9020	10.3792	10.7781	0.5367	60.0910	10.9282	10.8287	10.2334	0.0645	30.9354	0.6087	0.7759
<i>Barnesiella</i>	20.0559	10.7843	10.7403	0.0112	40.3347	30.5931	20.4177	30.7917	0.0000	10.3173	0.6572	0.8262
<i>Pseudobutyrvibrio</i>	20.0877	10.5076	20.1817	0.3348	70.0758	20.8313	10.1982	40.4030	0.0457	150.7375	0.6573	0.8262
<i>Uncultured-16</i>	0.0119	0.0000	0.0232	0.0000	0.0610	0.0014	0.0000	0.0029	0.0000	0.0077	0.6758	0.8279
<i>Enterococcus</i>	0.0211	0.0000	0.0597	0.0000	0.1687	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.6816	0.8279
<i>Morganella</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.6816	0.8279
<i>Thermoanaerobacterium</i>	0.0146	0.0000	0.0412	0.0000	0.1165	0.0063	0.0000	0.0234	0.0000	0.0876	0.6816	0.8279
<i>Uncultured Thermoanaerobacterales bacterium</i>	0.0275	0.0000	0.0777	0.0000	0.2199	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.6816	0.8279
<i>Ruminococcus</i>	10.3568	50.5903	140.4687	0.7684	440.4808	60.0222	50.6359	50.7028	0.1213	180.7126	0.7074	0.8514
<i>Enterobacter</i>	0.3922	0.0000	10.0958	0.0000	30.1041	0.2165	0.0000	0.5272	0.0000	10.7386	0.7103	0.8514
{Unknown Family} <i>Clostridiales</i>	0.0015	0.0000	0.0028	0.0000	0.0065	0.0030	0.0000	0.0092	0.0000	0.0342	0.7226	0.8605
<i>Planomicrobium</i>	0.0191	0.0000	0.0539	0.0000	0.1525	0.0075	0.0000	0.0188	0.0000	0.0684	0.7609	0.8874
<i>Christensenella</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.7844	0.8874
<i>Klebsiella</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.7844	0.8874
<i>Mogibacterium</i>	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0098	0.0059	0.0000	0.0220	0.0000	0.0824	0.7844	0.8874
<i>Peptococcus</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.7844	0.8874
<i>Uncultured bacterium-16</i>	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.7844	0.8874
<i>Uncultured organism-06</i>	0.0013	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0095	0.0000	0.0354	0.0000	0.1326	0.7844	0.8874
<i>Uncultured-20</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.4491	0.0000	10.6805	0.0000	60.2880	0.7844	0.8874
<i>Bacteroides</i>	20.7352	210.2925	140.3156	30.0512	40.1683	190.5739	160.7984	140.7254	0.2653	430.1085	0.8112	0.9063
<i>Uncultured-13</i>	40.1415	40.0977	20.0309	10.5227	80.2819	50.6699	30.4822	60.2562	0.3825	190.2359	0.8112	0.9063
<i>Dokdonella</i>	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0165	0.0000	0.0559	0.0000	0.2097	0.8638	0.9483
<i>Veillonella</i>	0.0004	0.0000	0.0013	0.0000	0.0036	0.0020	0.0000	0.0062	0.0000	0.0231	0.8638	0.9483
<i>Uncultured-10</i>	70.5201	60.0657	30.7579	30.4010	130.7908	70.4795	70.6785	30.1779	10.7354	110.7428	0.8645	0.9483

[illegible]

<i>Uncultured Bacteroidetes bacterium-02</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-01</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-04</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-06</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-10</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-11</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured bacterium-12</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured organism-01</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured organism-03</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured organism-04</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured rumen bacterium-02</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured-17</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured-18</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured-19</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>{Unknown Genus} Porphyromonadaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

SD—standard deviation; NA—not available;  $p$ -value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test;

$p$ -adj.— $p$  values adjusted with Benjamini–Hochberg FDR for multiple comparisons; red font—statistically

significant results ( $p < 0.05$ )

**Table S6.** The percentage abundance of the intestinal microbiota in the study group of COVID-19 patients and healthy controls at the species level.

Species	COVID-19 patients, <i>n</i> = 8					Controls, <i>n</i> = 14					<i>p</i> -value	<i>p</i> - adj.
	Mean	Median	SD	Min.	Max.	Mean	Median	SD	Min.	Max.		
<i>Uncultured Bacteroidetes bacterium-001</i>	0.8836	0.1605	10.8511	0.0000	50.3916	0.0072	0.0000	0.0191	0.0000	0.0697	0.0010	0.4264
<i>Uncultured bacterium-159</i>	0.7296	0.1971	10.3843	0.0092	40.1029	0.0238	0.0160	0.0286	0.0000	0.0923	0.0027	0.5558
<i>Metagenome</i>	0.0113	0.0083	0.0129	0.0000	0.0365	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.0070	0.6525
<i>Uncultured Lachnospiraceae bacterium</i>	0.6735	0.4051	10.0333	0.0280	30.1628	0.0958	0.0177	0.1255	0.0000	0.3447	0.0085	0.6525
<i>Uncultured bacterium-070</i>	90.0130	70.5285	40.4249	20.2477	150.7559	30.6931	30.0242	20.4242	0.2031	70.9860	0.0086	0.6525
<i>Uncultured bacterium-069</i>	20.3393	20.8579	10.3308	0.6382	40.1642	0.9252	0.6275	0.8493	0.0543	20.8568	0.0105	0.6525
<i>Uncultured organism-029</i>	0.4308	0.2736	0.5467	0.0364	10.7276	0.0951	0.0484	0.1149	0.0000	0.3754	0.0126	0.6525
<i>Uncultured organism-025</i>	0.8141	0.7307	0.5710	0.2609	10.8823	0.3304	0.2089	0.3503	0.0322	10.3519	0.0127	0.6525
<i>Uncultured Erysipelotrichaceae bacterium-002</i>	0.0831	0.0504	0.0943	0.0000	0.2247	0.0023	0.0000	0.0050	0.0000	0.0154	0.0175	0.6704
<i>Uncultured organism-027</i>	0.0543	0.0144	0.0719	0.0000	0.1813	0.0063	0.0000	0.0141	0.0000	0.0439	0.0189	0.6704
<i>Uncultured bacterium-120</i>	0.0281	0.0000	0.0747	0.0000	0.2127	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0191	0.6704
<i>Uncultured organism-024</i>	0.0747	0.0786	0.0674	0.0000	0.1594	0.0115	0.0000	0.0202	0.0000	0.0650	0.0216	0.6704
<i>Parabacteroides distasonis</i>	0.0315	0.0112	0.0435	0.0000	0.1079	0.0024	0.0000	0.0089	0.0000	0.0335	0.0289	0.6704
<i>Uncultured bacterium-033</i>	0.3251	0.1953	0.4565	0.0364	10.4389	0.0888	0.0314	0.1356	0.0000	0.3998	0.0314	0.6704
<i>Uncultured bacterium-139</i>	0.0122	0.0018	0.0296	0.0000	0.0854	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.0365	0.6704
<i>Uncultured bacterium-057</i>	0.5871	0.5478	0.4037	0.0728	10.3289	0.2884	0.1021	0.4319	0.0119	10.3609	0.0374	0.6704
<i>Uncultured organism-036</i>	0.3859	0.2865	0.2600	0.1597	0.9994	0.8421	0.7487	0.5702	0.0080	10.7918	0.0374	0.6704
<i>Bilophila wadsworthia 3_1_6</i>	0.0211	0.0125	0.0279	0.0000	0.0838	0.0044	0.0000	0.0089	0.0000	0.0251	0.0404	0.6704
<i>Uncultured bacterium-006</i>	0.0311	0.0035	0.0445	0.0000	0.1109	0.0019	0.0000	0.0058	0.0000	0.0217	0.0504	0.6704
<i>Eubacterium hallii</i> DSM 3353	0.2026	0.1759	0.2223	0.0035	0.6670	0.0580	0.0148	0.0850	0.0000	0.2422	0.0504	0.6704
<i>Uncultured bacterium-094</i>	0.4804	0.4065	0.3781	0.0785	10.3589	0.2595	0.1913	0.2426	0.0098	0.8306	0.0518	0.6704
<i>Uncultured bacterium-011</i>	0.0187	0.0060	0.0389	0.0000	0.1139	0.0017	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.0574	0.6704
<i>Uncultured bacterium-075</i>	110.2305	10.7596	40.0247	50.1146	160.2072	80.0466	60.6156	50.7639	20.9551	250.2438	0.0605	0.6704
<i>Bacterium NLAE-zl-P241</i>	0.0138	0.0000	0.0352	0.0000	0.1005	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Enterobacter hormaechei-002</i>	0.0043	0.0000	0.0084	0.0000	0.0223	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Gordonibacter pamelaiae</i>	0.0008	0.0000	0.0016	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Uncultured Adlercreutzia sp</i>	0.0011	0.0000	0.0021	0.0000	0.0048	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Uncultured bacterium-051</i>	0.0020	0.0000	0.0043	0.0000	0.0122	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Uncultured bacterium-131</i>	0.0054	0.0000	0.0128	0.0000	0.0366	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Uncultured bacterium-142</i>	0.0107	0.0000	0.0202	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704

{Unknown Family} <i>Bacteroidales</i>	0.0016	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0648	0.6704
<i>Uncultured Firmicutes bacterium-002</i>	0.0086	0.0000	0.0124	0.0000	0.0280	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.0679	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 039</i>	0.4477	0.3193	0.4770	0.0652	10.5312	0.1956	0.0473	0.2737	0.0000	0.8772	0.0697	0.6704
<i>Uncultured organism- 028</i>	0.1535	0.0453	0.2154	0.0092	0.5177	0.0456	0.0122	0.0792	0.0000	0.2941	0.0697	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 140</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0150	0.0000	0.0377	0.0000	0.1412	0.0699	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 110</i>	0.1487	0.1088	0.1666	0.0000	0.4580	0.0338	0.0026	0.0960	0.0000	0.3646	0.0715	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 017</i>	10.2400	0.9065	10.2340	0.0112	20.8641	0.6259	0.0415	0.9207	0.0000	20.6966	0.0788	0.6704
<i>Human gut metagenome- 010</i>	0.1541	0.0970	0.1486	0.0141	0.3947	0.0622	0.0252	0.0806	0.0000	0.2409	0.0814	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 086</i>	0.2494	0.0313	0.4029	0.0035	0.9499	0.5829	0.2827	0.8441	0.0038	30.0474	0.0818	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 025</i>	0.4095	0.0240	0.9653	0.0000	20.7796	0.1011	0.0000	0.3611	0.0000	10.3552	0.0997	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 024</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.5155	0.0000	10.3388	0.0000	50.0191	0.1159	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 148</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0052	0.0000	0.0158	0.1159	0.6704
<i>Uncultured organism- 011</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	20.5753	0.0000	60.0614	0.0000	190.0372	0.1159	0.6704
<i>Bacterium enrichment culture clone Ecwsrb007</i>	0.4388	0.0139	10.1727	0.0000	30.3399	0.0415	0.0000	0.1405	0.0000	0.5289	0.1165	0.6704
<i>Uncultured organism- 042</i>	0.1351	0.0077	0.3516	0.0000	10.0047	0.0481	0.0279	0.0405	0.0000	0.1058	0.1225	0.6704
<i>Clostridium spiroforme DSM 1552</i>	0.0020	0.0000	0.0033	0.0000	0.0092	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0155	0.1282	0.6704
<i>Uncultured Firmicutes bacterium-006</i>	0.0014	0.0000	0.0020	0.0000	0.0046	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0155	0.1282	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 076</i>	0.0736	0.0520	0.0725	0.0073	0.2127	0.0814	0.0077	0.1601	0.0000	0.5560	0.1411	0.6704
<i>Uncultured organism- 001</i>	0.0529	0.0000	0.0886	0.0000	0.2466	0.0048	0.0000	0.0122	0.0000	0.0339	0.1497	0.6704
<i>Flavonifractor plautii</i>	0.0049	0.0028	0.0057	0.0000	0.0142	0.0025	0.0000	0.0055	0.0000	0.0152	0.1541	0.6704
<i>Uncultured organism- 020</i>	0.0262	0.0218	0.0210	0.0000	0.0637	0.0145	0.0063	0.0190	0.0000	0.0619	0.1619	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 113</i>	0.0660	0.0140	0.1101	0.0000	0.3084	0.0476	0.0000	0.1087	0.0000	0.3486	0.1681	0.6704
<i>Human gut metagenome- 001</i>	0.0847	0.0165	0.1605	0.0000	0.4705	0.3320	0.1039	0.5410	0.0000	10.8863	0.1807	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 073</i>	0.2340	0.2009	0.1399	0.0392	0.4599	0.3082	0.0872	0.5179	0.0121	10.6048	0.1832	0.6704
<i>Acidaminococcus intestini</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0297	0.0000	0.0876	0.0000	0.3275	0.1885	0.6704
<i>Bifidobacterium ruminantium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1352	0.0000	0.4501	0.0000	10.6918	0.1885	0.6704
<i>Rumen bacterium 2/9293-18</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0124	0.0000	0.0433	0.0000	0.1625	0.1885	0.6704
<i>Uncultured Bacteroidetes bacterium-003</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0017	0.0000	0.0038	0.0000	0.0125	0.1885	0.6704
<i>Uncultured bacterium- 118</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0018	0.0000	0.0043	0.0000	0.0152	0.1885	0.6704
<i>Uncultured organism- 004</i>	0.0035	0.0016	0.0060	0.0000	0.0176	0.0364	0.0083	0.0869	0.0000	0.3298	0.1910	0.6704
<i>Uncultured Christensenellaceae bacterium</i>	0.0137	0.0000	0.0387	0.0000	0.1094	0.0643	0.0000	0.1570	0.0000	0.5934	0.2008	0.6704
<i>Butyrate-producing bacterium PH07BW09</i>	0.0082	0.0028	0.0148	0.0000	0.0439	0.0035	0.0000	0.0074	0.0000	0.0223	0.2064	0.6704

Uncultured <i>Streptococcus</i> sp	0.1259	0.0000	0.3395	0.0000	0.9656	0.0017	0.0000	0.0043	0.0000	0.0125	0.2096	0.6704
Uncultured bacterium-135	0.0154	0.0087	0.0181	0.0000	0.0490	0.3989	0.0000	10.3258	0.0000	40.9796	0.2188	0.6704
<i>Anaerostipes</i> sp. 1y-2	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Bacterium</i> NLAE-zl-H512	0.0008	0.0000	0.0023	0.0000	0.0064	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Bacterium</i> YE57	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Bacteroides</i> sp. R6	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Bifidobacterium kashiwanohense</i>	0.0012	0.0000	0.0034	0.0000	0.0096	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Bifidobacterium saeculare</i>	0.0035	0.0000	0.0098	0.0000	0.0277	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Clostridiales bacterium DJF_B152	0.0012	0.0000	0.0034	0.0000	0.0097	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Clostridiales bacterium canine oral taxon 219	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Clostridium</i> sp	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Clostridium</i> sp. TM-40	0.0115	0.0000	0.0327	0.0000	0.0924	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Eggerthella lenta</i> DSM 2243	0.0010	0.0000	0.0029	0.0000	0.0081	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterobacter ludwigii</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterobacter</i> sp. E177e	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterococcus durans</i>	0.0041	0.0000	0.0115	0.0000	0.0325	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterococcus faecium</i>	0.0020	0.0000	0.0058	0.0000	0.0163	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterococcus lactis</i>	0.0030	0.0000	0.0086	0.0000	0.0244	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterococcus</i> sp. CGLBL186	0.0114	0.0000	0.0323	0.0000	0.0915	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Enterococcus</i> sp. MIT7B1	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Eubacterium fissicatena</i>	0.0018	0.0000	0.0051	0.0000	0.0143	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Eubacterium</i> sp. 3_1_31	0.0006	0.0000	0.0016	0.0000	0.0046	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Human gut metagenome-013	0.0104	0.0000	0.0293	0.0000	0.0829	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Leuconostoc mesenteroides</i>	0.0015	0.0000	0.0043	0.0000	0.0122	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Leuconostoc mesenteroides</i> subsp. <i>mesenteroides</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Parabacteroides goldsteinii</i> dnLKV18	0.0008	0.0000	0.0023	0.0000	0.0065	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Providencia</i> sp. enrichment culture clone SRC_NBB4	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Streptococcus suis</i> SC84	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Trueperella pyogenes</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Actinomycetales</i> bacterium	0.0015	0.0000	0.0042	0.0000	0.0118	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Arcanobacterium</i> sp	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Bacillales</i> bacterium	0.0062	0.0000	0.0174	0.0000	0.0494	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Bacteroidales</i> bacterium-002	0.0007	0.0000	0.0020	0.0000	0.0056	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Bacteroidetes</i> bacterium-002	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Desulfovibrio</i> sp	0.0056	0.0000	0.0158	0.0000	0.0448	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Firmicutes</i> bacterium-008	0.0018	0.0000	0.0050	0.0000	0.0141	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Klebsiella</i> sp-002	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
Uncultured <i>Ruminococcus</i> sp	0.0019	0.0000	0.0052	0.0000	0.0148	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704

<i>Uncultured Shigella sp-002</i>	0.0216	0.0000	0.0611	0.0000	0.1728	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-003</i>	0.0040	0.0000	0.0113	0.0000	0.0319	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-007</i>	0.0018	0.0000	0.0051	0.0000	0.0143	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-021</i>	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-035</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-043</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-049</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-052</i>	0.0054	0.0000	0.0152	0.0000	0.0430	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-065</i>	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0098	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-077</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-085</i>	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-121</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-126</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured marine bacterium-002</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured organism-017</i>	0.0008	0.0000	0.0023	0.0000	0.0065	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured organism-033</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured organism-038</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium 4C28d-12</i>	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-015</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Unidentified-002</i>	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Unidentified-004</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Unidentified-006</i>	0.0006	0.0000	0.0016	0.0000	0.0046	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Unidentified-008</i>	0.0003	0.0000	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Unidentified-009</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>{Unknown Class} Bacteroidetes</i>	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0111	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>{Unknown Phylum} Bacteria</i>	0.0010	0.0000	0.0028	0.0000	0.0078	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>{Unknown Species} Arcanobacterium</i>	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0039	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>{Unknown Species} Bacteroides</i>	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>{Unknown Species} Bifidobacterium</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2193	0.6704
<i>Uncultured bacterium-027</i>	0.0232	0.0000	0.0632	0.0000	0.1795	0.8770	0.0000	10.9006	0.0000	60.7999	0.2197	0.6704
<i>Uncultured bacterium-010</i>	0.0022	0.0000	0.0041	0.0000	0.0102	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.2299	0.6704
<i>Uncultured Firmicutes bacterium-003</i>	0.3041	0.1308	0.3777	0.0159	0.9954	0.5656	0.3050	0.6845	0.0000	20.5667	0.2323	0.6704
<i>Uncultured bacterium-080</i>	20.8897	20.4284	10.7053	10.5017	60.6169	20.0262	10.7490	10.7909	0.0000	60.5916	0.2323	0.6704
<i>Uncultured alpha proteobacterium-001</i>	0.0171	0.0000	0.0247	0.0000	0.0610	0.0014	0.0000	0.0029	0.0000	0.0077	0.2583	0.6704



<i>Faecalibacterium cf0. prausnitzii</i> KLE1255	0.1612	0.0528	0.2144	0.0041	0.5751	0.2954	0.1389	0.3969	0.0000	10.4741	0.2601	0.6704
Uncultured organism-045	0.4300	0.2459	0.4716	0.0346	10.2541	0.7979	0.4368	0.9862	0.0505	30.6191	0.2601	0.6704
Uncultured bacterium-133	0.3132	0.0352	0.5436	0.0000	10.4108	0.1510	0.0000	0.3522	0.0000	10.1572	0.2636	0.6704
Uncultured bacterium-078	0.0053	0.0000	0.0128	0.0000	0.0366	0.0468	0.0049	0.1465	0.0000	0.5547	0.2669	0.6704
<i>Bacteroidetes bacterium</i> Eg28	0.0023	0.0000	0.0054	0.0000	0.0153	0.0009	0.0000	0.0035	0.0000	0.0132	0.2774	0.6704
Uncultured <i>Enterobacteriaceae</i> bacterium-002	0.1640	0.0000	0.4627	0.0000	10.3091	0.0024	0.0000	0.0091	0.0000	0.0342	0.2774	0.6704
Uncultured bacterium-130	0.0330	0.0000	0.0918	0.0000	0.2602	0.0096	0.0000	0.0358	0.0000	0.1338	0.2774	0.6704
Uncultured bacterium-058	0.0166	0.0000	0.0429	0.0000	0.1226	0.0020	0.0000	0.0051	0.0000	0.0150	0.2851	0.6704
Uncultured organism-023	0.0015	0.0000	0.0021	0.0000	0.0049	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.2851	0.6704
Uncultured organism-007	0.0216	0.0125	0.0187	0.0000	0.0546	0.0970	0.0470	0.1200	0.0000	0.3580	0.2874	0.6704
Uncultured organism-035	0.5475	0.4842	0.5976	0.0353	10.8558	0.3152	0.2192	0.3619	0.0000	10.3922	0.2900	0.6704
Human gut metagenome-007	0.0325	0.0060	0.0498	0.0000	0.1434	0.0476	0.0019	0.1355	0.0000	0.5139	0.2942	0.6704
<i>Campylobacter jejuni</i> RM1221	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1163	0.0000	0.4179	0.0000	10.5671	0.3050	0.6704
Human gut metagenome-002	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1900	0.0000	0.6636	0.0000	20.4901	0.3050	0.6704
Uncultured <i>Clostridia</i> bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0026	0.0000	0.0072	0.0000	0.0251	0.3050	0.6704
Uncultured <i>Clostridiales</i> bacterium-002	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0022	0.0000	0.0075	0.3050	0.6704
Uncultured <i>Dialister</i> sp	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0102	0.0000	0.0342	0.0000	0.1283	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-044	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0134	0.0000	0.0343	0.0000	0.1047	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-071	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0119	0.0000	0.0399	0.0000	0.1495	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-101	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0007	0.0000	0.0017	0.0000	0.0052	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-112	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0065	0.0000	0.0164	0.0000	0.0457	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-123	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0020	0.0000	0.0062	0.0000	0.0231	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-149	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0028	0.0000	0.0080	0.3050	0.6704
Uncultured organism-014	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0022	0.0000	0.0058	0.0000	0.0192	0.3050	0.6704
Uncultured organism-049	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1701	0.0000	0.4601	0.0000	10.5918	0.3050	0.6704
Uncultured organism-054	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0111	0.0000	0.0406	0.0000	0.1523	0.3050	0.6704
Uncultured rumen bacterium-006	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0035	0.0000	0.0111	0.0000	0.0415	0.3050	0.6704
Uncultured sediment bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0014	0.0000	0.0040	0.3050	0.6704
Unidentified rumen bacterium RFN10	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0022	0.0000	0.0077	0.3050	0.6704
Uncultured bacterium-116	0.1787	0.0849	0.2126	0.0000	0.5467	0.0960	0.0141	0.1863	0.0000	0.6748	0.3106	0.6704
Uncultured bacterium-079	20.9143	10.6751	30.1695	0.3323	90.4000	20.3719	10.0539	30.6412	0.0442	130.2267	0.3223	0.6704
<i>Bacterium</i> NLAE-zl-G195	0.0010	0.0000	0.0029	0.0000	0.0081	0.1052	0.0000	0.2483	0.0000	0.8160	0.3291	0.6704

<i>Lachnospira multipara</i>	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0364	0.0000	0.0752	0.0000	0.2203	0.3291	0.6704
<i>Uncultured organism-059</i>	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0407	0.0000	0.0773	0.0000	0.2440	0.3291	0.6704
<i>Uncultured Firmicutes bacterium-004</i>	0.0048	0.0000	0.0093	0.0000	0.0245	0.0080	0.0000	0.0299	0.0000	0.1119	0.3311	0.6704
<i>Uncultured bacterium-117</i>	0.0020	0.0000	0.0045	0.0000	0.0129	0.0136	0.0000	0.0511	0.0000	0.1910	0.3311	0.6704
{Unknown Genus} <i>Lachnospiraceae</i>	0.0175	0.0012	0.0424	0.0000	0.1220	0.0531	0.0000	0.1732	0.0000	0.6498	0.3425	0.6704
<i>Uncultured bacterium-026</i>	0.3459	0.2671	0.3994	0.0000	10.2214	10.5365	0.9849	20.0375	0.0000	70.3397	0.3563	0.6704
<i>Uncultured organism-003</i>	0.6478	0.5173	0.6837	0.0000	10.9246	20.9672	10.5160	30.6858	0.0000	10.3173	0.3563	0.6704
{Unknown Family} <i>Clostridiales</i>	0.0021	0.0000	0.0029	0.0000	0.0065	0.0030	0.0000	0.0092	0.0000	0.0342	0.3772	0.6704
<i>Uncultured organism-058</i>	0.0831	0.0034	0.1517	0.0000	0.3649	10.0257	0.0000	20.1091	0.0000	60.3184	0.3785	0.6704
<i>Uncultured bacterium-108</i>	0.2401	0.0537	0.4394	0.0000	10.2774	0.1581	0.0058	0.3684	0.0000	10.3621	0.3820	0.6704
<i>Uncultured bacterium-066</i>	0.0260	0.0147	0.0316	0.0032	0.0980	0.0306	0.0094	0.0545	0.0000	0.2011	0.3888	0.6704
<i>Uncultured bacterium-001</i>	0.5878	0.1369	10.0007	0.0000	20.8928	0.8647	0.2052	0.9398	0.0038	20.4378	0.3934	0.6704
<i>Uncultured bacterium-022</i>	0.2786	0.1083	0.3769	0.0139	10.1175	0.1641	0.0953	0.1884	0.0000	0.5505	0.3934	0.6704
<i>Uncultured bacterium-056</i>	0.3810	0.1780	0.4665	0.0183	10.3715	0.7155	0.4924	0.9403	0.0000	30.6547	0.3934	0.6704
<i>Uncultured bacterium-028</i>	0.7710	0.8046	0.4127	0.1372	10.4613	20.2817	10.3187	30.1771	0.0152	110.1256	0.3936	0.6704
<i>Alistipes timonensis</i> JC136	0.0037	0.0000	0.0104	0.0000	0.0294	0.0530	0.0000	0.1291	0.0000	0.3741	0.4295	0.6704
<i>Uncultured organism-006</i>	0.0095	0.0094	0.0062	0.0000	0.0203	0.0977	0.0317	0.1375	0.0000	0.4796	0.4299	0.6704
<i>Uncultured bacterium-031</i>	0.2615	0.1707	0.2158	0.0366	0.6101	0.2418	0.0549	0.2731	0.0098	0.8638	0.4325	0.6704
<i>Uncultured organism-039</i>	0.0178	0.0020	0.0243	0.0000	0.0533	0.0355	0.0000	0.0741	0.0000	0.2053	0.4330	0.6704
<i>Uncultured bacterium-053</i>	0.0341	0.0000	0.0907	0.0000	0.2582	0.0008	0.0000	0.0022	0.0000	0.0076	0.4468	0.6704
<i>Uncultured bacterium-104</i>	0.0737	0.0025	0.1943	0.0000	0.5542	0.0120	0.0000	0.0258	0.0000	0.0815	0.4519	0.6704
<i>Uncultured bacterium-018</i>	0.0062	0.0063	0.0054	0.0000	0.0161	0.0263	0.0120	0.0359	0.0000	0.1161	0.4628	0.6704
<i>Uncultured organism-012</i>	0.0848	0.0403	0.1142	0.0224	0.3613	0.1159	0.0291	0.1728	0.0000	0.5772	0.4731	0.6704
<i>Uncultured bacterium-023</i>	0.8507	0.8665	0.6191	0.0797	10.6699	0.7472	0.4651	0.8537	0.0000	20.6009	0.4736	0.6704
<i>Uncultured bacterium-054</i>	0.3857	0.0599	0.8466	0.0046	20.4617	0.0495	0.0229	0.0659	0.0000	0.2346	0.4736	0.6704
<i>Uncultured Clostridiaceae bacterium-001</i>	0.0567	0.0029	0.1480	0.0000	0.4227	0.0693	0.0106	0.1855	0.0000	0.7057	0.4844	0.6704
<i>Uncultured organism-018</i>	0.0012	0.0000	0.0035	0.0000	0.0099	0.0018	0.0000	0.0037	0.0000	0.0132	0.4857	0.6704
<i>Clostridium</i> sp. MDA2315	0.0078	0.0000	0.0142	0.0000	0.0371	0.0205	0.0028	0.0432	0.0000	0.1600	0.5023	0.6704
<i>Uncultured bacterium-004</i>	0.0167	0.0040	0.0328	0.0000	0.0952	0.0283	0.0000	0.0751	0.0000	0.2780	0.5023	0.6704
<i>Anaerostipes butyraticus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0138	0.0000	0.0517	0.0000	0.1935	0.5083	0.6704
<i>Bacillus</i> sp. SC156(2010)	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Bacterium</i> NLAE-zl-G202	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0012	0.0000	0.0045	0.0000	0.0167	0.5083	0.6704
<i>Bacterium</i> mpn-isolate group 4	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0077	0.0000	0.0289	0.0000	0.1080	0.5083	0.6704

<i>Bacteroides finegoldii</i> CL09T03C10	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0225	0.0000	0.0841	0.0000	0.3146	0.5083	0.6704
<i>Bacteroides fragilis</i> CL03T00C08	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1954	0.0000	0.7309	0.0000	20.7349	0.5083	0.6704
<i>Bacteroides</i> sp. AP1	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.6704
<i>Bifidobacterium scardovii</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.6704
<i>Campylobacter hominis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.6704
<i>Campylobacter hominis</i> ATCC BAA-381	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0106	0.0000	0.0397	0.5083	0.6704
<i>Campylobacter upsaliensis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0454	0.0000	0.1699	0.0000	0.6358	0.5083	0.6704
<i>Campylobacter upsaliensis</i> RM3195	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0556	0.0000	0.2079	0.0000	0.7780	0.5083	0.6704
<i>Carnobacterium maltaromaticum</i> ATCC 35586	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Citrobacter freundii</i> -001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8901	0.0000	30.3304	0.0000	120.4613	0.5083	0.6704
<i>Clostridiaceae</i> bacterium WN011	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0066	0.0000	0.0249	0.0000	0.0930	0.5083	0.6704
<i>Clostridiales</i> bacterium 27-5-10	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.6704
<i>Clostridiales</i> bacterium VE202-08	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Clostridium clostridioforme</i> 90A4	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.6704
<i>Clostridium methoxybenzovorans</i> SR3	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0031	0.0000	0.0117	0.0000	0.0439	0.5083	0.6704
<i>Clostridium nexile</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.0000	0.0571	0.5083	0.6704
<i>Clostridium</i> sp. ID6	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0044	0.0000	0.0163	0.0000	0.0609	0.5083	0.6704
<i>Clostridium</i> sp. SL-2013-71	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.6704
<i>Clostridium</i> sp. U201	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0035	0.0000	0.0131	0.0000	0.0490	0.5083	0.6704
<i>Coriobacteriaceae</i> bacterium JC110	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Dialister</i> sp. oral taxon 502	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0030	0.0000	0.0112	0.5083	0.6704
<i>Enterobacter hormaechei</i> -001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Enterobacter</i> sp. JN0513	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.4848	0.0000	10.8138	0.0000	60.7866	0.5083	0.6704
<i>Enterobacter</i> sp. NAB3	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.5083	0.6704
<i>Enterobacter</i> sp. R4-368	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0106	0.0000	0.0397	0.5083	0.6704
<i>Enterococcus faecalis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.6704
<i>Erysipelotrichaceae</i> bacterium 21_3	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0031	0.0000	0.0117	0.0000	0.0439	0.5083	0.6704
<i>Eubacteriaceae</i> bacterium DJF_VR85	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.6704
<i>Holdemania massiliensis</i> AP2	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.6704
<i>Human gut metagenome</i> -006	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.5083	0.6704
<i>Human gut metagenome</i> -016	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0065	0.0000	0.0244	0.0000	0.0914	0.5083	0.6704
<i>Klebsiella michiganensis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.5083	0.6704
<i>Klebsiella oxytoca</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0010	0.0000	0.0039	0.0000	0.0144	0.5083	0.6704
<i>Klebsiella</i> sp. enrichment culture clone CL108	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1283	0.0000	0.4800	0.0000	10.7961	0.5083	0.6704
<i>Lachnospiraceae</i> bacterium DJF_RR13	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0051	0.0000	0.0190	0.0000	0.0712	0.5083	0.6704
<i>Lactobacillus acidophilus</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0129	0.0000	0.0483	0.0000	0.1806	0.5083	0.6704
<i>Lactobacillus plantarum</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0155	0.5083	0.6704
<i>Methanogenic archaeon</i> CH1270	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Methylobacterium</i> MAP-2	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704

<i>Paenibacillus</i> sp. 6M20	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0025	0.0000	0.0092	0.0000	0.0345	0.5083	0.6704
<i>Paenibacillus</i> sp. enrichment culture clone ts0224R	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Pediococcus lolii</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0155	0.5083	0.6704
<i>Prevotella disiens</i> FB035- 09AN	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Prevotella marshallii</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0383	0.0000	0.1435	0.0000	0.5368	0.5083	0.6704
<i>Pseudomonas guineae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2673	0.0000	10.0000	0.0000	30.7418	0.5083	0.6704
<i>Pseudomonas lundensis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0021	0.0000	0.0077	0.0000	0.0288	0.5083	0.6704
<i>Pseudomonas</i> sp. enrichment culture clone IC1-46	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0014	0.0000	0.0051	0.0000	0.0192	0.5083	0.6704
<i>Pseudomonas syringae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0031	0.0000	0.0115	0.5083	0.6704
<i>Pseudomonas syringae</i> p0. tomato	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0077	0.5083	0.6704
<i>Ruminococcus gnavus</i> CC55_001C	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0083	0.0000	0.0310	0.0000	0.1161	0.5083	0.6704
<i>Ruminococcus</i> sp. DJF_VR67	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0012	0.0000	0.0044	0.0000	0.0166	0.5083	0.6704
<i>Sphingomonas soli</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704
<i>Sporosarcina psychrophila</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0032	0.0000	0.0121	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Enterobacteriaceae</i> bacterium-001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Firmicutes</i> bacterium-001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0136	0.0000	0.0507	0.0000	0.1898	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Klebsiella</i> sp- 001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.4856	0.0000	10.8170	0.0000	60.7987	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Lactobacillus</i> sp.	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0024	0.0000	0.0090	0.0000	0.0335	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Mollicutes</i> bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0194	0.0000	0.0725	0.0000	0.2713	0.5083	0.6704
Uncultured <i>Oxalobacteraceae</i> bacterium	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
Uncultured archaeon-001	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.6704
Uncultured archaeon-002	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium adhufec350.25	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 032	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0046	0.0000	0.0171	0.0000	0.0642	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 036	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 037	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 040	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0050	0.0000	0.0186	0.0000	0.0697	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 045	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0016	0.0000	0.0061	0.0000	0.0230	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 048	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1596	0.0000	0.5974	0.0000	20.2351	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 050	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0276	0.0000	0.1034	0.0000	0.3870	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 063	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 067	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0014	0.0000	0.0053	0.0000	0.0198	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 074	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
Uncultured bacterium- 095	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0012	0.0000	0.0044	0.0000	0.0166	0.5083	0.6704

<i>Uncultured bacterium-109</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0233	0.0000	0.0871	0.0000	0.3259	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-119</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-122</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0028	0.0000	0.0106	0.0000	0.0396	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-128</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0032	0.0000	0.0119	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-129</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-138</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-141</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0088	0.0000	0.0328	0.0000	0.1227	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-143</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.5380	0.0000	20.0132	0.0000	70.5327	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-150</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.4131	0.0000	10.5456	0.0000	50.7832	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-152</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.5083	0.6704
<i>Uncultured bacterium-156</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0061	0.0000	0.0227	0.0000	0.0851	0.5083	0.6704
<i>Uncultured beta proteobacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0012	0.0000	0.0044	0.0000	0.0166	0.5083	0.6704
<i>Uncultured gamma proteobacterium</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0080	0.0000	0.0299	0.0000	0.1119	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-009</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0961	0.0000	0.3596	0.0000	10.3455	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-022</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0059	0.0000	0.0220	0.0000	0.0824	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-026</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0819	0.0000	0.3065	0.0000	10.1468	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-056</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0076	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-057</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0041	0.0000	0.0153	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-061</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0011	0.0000	0.0042	0.0000	0.0158	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-064</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Uncultured organism-069</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-002</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0089	0.0000	0.0333	0.0000	0.1246	0.5083	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-007</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1177	0.0000	0.4405	0.0000	10.6481	0.5083	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-010</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0008	0.0000	0.0030	0.0000	0.0113	0.5083	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-011</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0021	0.0000	0.0079	0.5083	0.6704
<i>Uncultured rumen bacterium-014</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0160	0.0000	0.0599	0.0000	0.2243	0.5083	0.6704
<i>Unidentified-007</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Virgibacillus soli</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0005	0.0000	0.0020	0.0000	0.0077	0.5083	0.6704
<i>Wallaby gut metagenome</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0000	0.0021	0.0000	0.0079	0.5083	0.6704
<i>{Unknown Genus} Peptostreptococcaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.5083	0.6704
<i>{Unknown Species} Blautia</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0068	0.0000	0.0254	0.0000	0.0950	0.5083	0.6704
<i>{Unknown Species} Coprobacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>{Unknown Species} Incertae Sedis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0225	0.0000	0.0841	0.0000	0.3148	0.5083	0.6704

<i>{Unknown Species}</i> <i>Uncultured-001</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.5083	0.6704
<i>{Unknown Species}</i> <i>Uncultured-002</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.5083	0.6704
<i>Uncultured Clostridium</i> <i>sp</i>	0.0038	0.0000	0.0087	0.0000	0.0249	0.0015	0.0000	0.0044	0.0000	0.0161	0.5097	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>093</i>	0.0047	0.0000	0.0114	0.0000	0.0325	0.0017	0.0000	0.0053	0.0000	0.0197	0.5097	0.6704
<i>Uncultured organism-</i> <i>051</i>	0.0530	0.0199	0.0831	0.0000	0.2470	0.0274	0.0064	0.0416	0.0000	0.1225	0.5125	0.6704
<i>Bacterium NLAE-zl-</i> <i>C532</i>	0.0219	0.0020	0.0537	0.0000	0.1546	0.0080	0.0000	0.0209	0.0000	0.0791	0.5151	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>014</i>	0.0113	0.0023	0.0147	0.0000	0.0353	0.0069	0.0000	0.0121	0.0000	0.0397	0.5151	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>009</i>	0.3248	0.1851	0.3303	0.0670	0.9825	0.3910	0.2771	0.3589	0.0000	10.2784	0.5167	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>015</i>	140.2845	140.6608	10.7147	20.3581	30.1222	110.4793	90.3120	80.8311	0.1884	30.4562	0.5167	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>111</i>	0.4611	0.4592	0.3652	0.0046	0.9576	0.3325	0.2469	0.2687	0.0000	0.7653	0.5167	0.6704
<i>Uncultured organism-</i> <i>046</i>	0.1808	0.1676	0.1510	0.0056	0.5097	0.6413	0.2194	10.0366	0.0000	30.2475	0.5167	0.6704
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>020</i>	0.3965	0.0355	0.9951	0.0000	20.8551	0.4785	0.0933	0.8634	0.0000	30.0755	0.5389	0.6912
<i>Uncultured organism-</i> <i>005</i>	0.0195	0.0028	0.0335	0.0000	0.0874	0.0292	0.0143	0.0427	0.0000	0.1425	0.5424	0.6912
<i>Uncultured</i> <i>Bifidobacterium sp. 9A</i>	0.0007	0.0000	0.0020	0.0000	0.0056	0.0196	0.0000	0.0443	0.0000	0.1316	0.5428	0.6912
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>013</i>	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0327	0.0000	0.1150	0.0000	0.4319	0.5428	0.6912
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>029</i>	0.0020	0.0000	0.0058	0.0000	0.0163	0.0121	0.0000	0.0252	0.0000	0.0704	0.5428	0.6912
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>103</i>	0.0008	0.0000	0.0023	0.0000	0.0064	0.0269	0.0000	0.0687	0.0000	0.2308	0.5428	0.6912
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>090</i>	0.1390	0.0290	0.1919	0.0000	0.5182	0.1973	0.0038	0.3905	0.0000	10.2528	0.5479	0.6955
<i>Uncultured organism-</i> <i>032</i>	0.0276	0.0000	0.0641	0.0000	0.1848	0.0823	0.0019	0.1605	0.0000	0.5078	0.5510	0.6972
<i>Human gut metagenome-</i> <i>008</i>	0.0660	0.0151	0.0887	0.0000	0.2231	0.0755	0.0383	0.1121	0.0000	0.4089	0.5555	0.7008
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>088</i>	0.9984	0.1637	20.2564	0.0035	60.5612	0.7676	0.2340	10.3810	0.0000	50.1667	0.5617	0.7064
<i>Ruminococcus bromii L2-</i> <i>63</i>	0.0471	0.0000	0.0839	0.0000	0.2325	0.2481	0.0000	0.4252	0.0000	10.1189	0.5658	0.7094
<i>Uncultured</i> <i>Faecalibacterium sp</i>	0.0039	0.0000	0.0098	0.0000	0.0280	0.0009	0.0000	0.0024	0.0000	0.0075	0.5770	0.7168
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>064</i>	0.0015	0.0000	0.0029	0.0000	0.0075	0.0029	0.0000	0.0096	0.0000	0.0361	0.5770	0.7168
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>144</i>	0.0315	0.0000	0.0877	0.0000	0.2486	0.0086	0.0000	0.0310	0.0000	0.1161	0.5770	0.7168
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>107</i>	0.0140	0.0000	0.0373	0.0000	0.1060	0.7929	0.0000	20.2213	0.0000	70.9589	0.5916	0.7306
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>145</i>	0.2272	0.0000	0.6302	0.0000	10.7868	0.2017	0.0000	0.5245	0.0000	10.7386	0.5916	0.7306
<i>Fusicatenibacter</i> <i>saccharivorans</i>	0.0586	0.0117	0.1027	0.0000	0.2940	0.0513	0.0364	0.0607	0.0000	0.2310	0.6067	0.7470
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>092</i>	60.2430	50.5057	40.5705	0.4452	120.3443	70.0643	60.0154	40.9734	0.0103	150.6916	0.6087	0.7472
<i>Gut metagenome-001</i>	0.0009	0.0000	0.0018	0.0000	0.0049	0.0095	0.0000	0.0196	0.0000	0.0653	0.6325	0.7740
<i>Uncultured bacterium-</i> <i>115</i>	0.0123	0.0000	0.0332	0.0000	0.0943	0.0089	0.0000	0.0304	0.0000	0.1142	0.6481	0.7906
<i>Uncultured rumen</i> <i>bacterium-012</i>	0.0182	0.0000	0.0506	0.0000	0.1434	0.0226	0.0000	0.0414	0.0000	0.1247	0.6499	0.7906
<i>Bacteroides coprophilus</i>	0.0105	0.0000	0.0296	0.0000	0.0839	0.0053	0.0000	0.0200	0.0000	0.0748	0.6816	0.8001

<i>Bacteroides nordii</i> CL02T12C05	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0040	0.6816	0.8001
<i>Lactococcus lactis</i> subsp. <i>cremoris</i> TIFN7	0.0043	0.0000	0.0122	0.0000	0.0346	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.6816	0.8001
<i>Lactococcus lactis</i> subsp. <i>lactis</i>	0.0051	0.0000	0.0144	0.0000	0.0407	0.0004	0.0000	0.0014	0.0000	0.0052	0.6816	0.8001
Uncultured <i>Parabacteroides</i> sp	0.1436	0.0000	0.4061	0.0000	10.1485	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.6816	0.8001
Uncultured <i>Thermoanaerobacteriales</i> <i>bacterium</i>	0.0275	0.0000	0.0777	0.0000	0.2199	0.0005	0.0000	0.0019	0.0000	0.0072	0.6816	0.8001
Uncultured bacterium- 068	0.0035	0.0000	0.0098	0.0000	0.0277	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.6816	0.8001
Uncultured bacterium- 105	0.0146	0.0000	0.0412	0.0000	0.1165	0.0063	0.0000	0.0234	0.0000	0.0876	0.6816	0.8001
Uncultured organism- 019	0.0075	0.0000	0.0212	0.0000	0.0600	0.0037	0.0000	0.0138	0.0000	0.0516	0.6816	0.8001
Uncultured organism- 062	0.1075	0.0000	0.3040	0.0000	0.8599	0.0089	0.0000	0.0333	0.0000	0.1247	0.6816	0.8001
Uncultured organism- 067	0.0020	0.0000	0.0056	0.0000	0.0159	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.6816	0.8001
Uncultured rumen bacterium-005	0.0006	0.0000	0.0016	0.0000	0.0046	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.6816	0.8001
<i>Bacteroides plebeius</i> DSM 17135	0.0073	0.0000	0.0205	0.0000	0.0581	0.0123	0.0000	0.0263	0.0000	0.0851	0.6850	0.8001
Uncultured organism- 044	0.0117	0.0000	0.0330	0.0000	0.0934	0.0167	0.0000	0.0557	0.0000	0.2091	0.6850	0.8001
Uncultured bacterium- 157	0.0080	0.0000	0.0204	0.0000	0.0582	0.0807	0.0000	0.1680	0.0000	0.4700	0.6956	0.8078
<i>Parabacteroides merdae</i>	0.0288	0.0233	0.0312	0.0000	0.0858	0.0472	0.0094	0.1020	0.0000	0.3785	0.6974	0.8078
Uncultured organism- 034	0.1721	0.0180	0.2750	0.0000	0.7714	0.0909	0.0258	0.1525	0.0000	0.5691	0.6974	0.8078
<i>Alistipes</i> sp. AP11	0.0015	0.0000	0.0034	0.0000	0.0096	0.0076	0.0000	0.0192	0.0000	0.0543	0.7226	0.8322
Human gut metagenome- 009	0.0220	0.0000	0.0499	0.0000	0.1418	0.0689	0.0000	0.2034	0.0000	0.7459	0.7226	0.8322
Human gut metagenome- 011	0.1348	0.0036	0.2442	0.0000	0.6151	0.2717	0.0386	0.7821	0.0000	20.9736	0.7266	0.8345
<i>Bacteroides vulgatus</i>	0.2692	0.2807	0.1974	0.0000	0.5122	0.4329	0.2146	0.5274	0.0000	10.3616	0.7303	0.8364
Uncultured organism- 060	0.0345	0.0000	0.0706	0.0000	0.2043	0.1732	0.0000	0.3440	0.0000	10.0175	0.7515	0.8441
Uncultured bacterium- 002	0.0403	0.0277	0.0487	0.0000	0.1468	0.1093	0.0157	0.2293	0.0000	0.8420	0.7530	0.8441
Human gut metagenome- 012	0.4089	0.0770	0.7088	0.0000	20.0578	0.3685	0.0595	0.6563	0.0000	10.9417	0.7564	0.8441
Uncultured bacterium- 083	70.4253	60.4643	30.5033	30.0063	130.5151	60.5093	60.4031	30.2755	10.5558	110.2253	0.7587	0.8441
<i>Bifidobacterium bifidum</i> NCIMB 41171	0.0167	0.0000	0.0474	0.0000	0.1340	0.0049	0.0000	0.0111	0.0000	0.0335	0.7609	0.8441
Uncultured bacterium- 047	0.0191	0.0000	0.0539	0.0000	0.1525	0.0075	0.0000	0.0188	0.0000	0.0684	0.7609	0.8441
Uncultured organism- 010	0.0062	0.0000	0.0175	0.0000	0.0494	0.0032	0.0000	0.0089	0.0000	0.0332	0.7609	0.8441
Human gut metagenome- 005	0.2513	0.0051	0.5694	0.0000	10.6353	0.1160	0.0125	0.2525	0.0000	0.9169	0.7743	0.8441
Uncultured <i>Ruminococcaceae</i> bacterium	0.0271	0.0041	0.0418	0.0000	0.1181	0.0973	0.0083	0.2839	0.0000	10.0738	0.7743	0.8441
<i>Bifidobacterium</i> <i>catenulatum</i>	0.0023	0.0000	0.0064	0.0000	0.0182	0.0017	0.0000	0.0064	0.0000	0.0241	0.7844	0.8441
<i>Butyrate-producing</i> bacterium SM4/1	0.0015	0.0000	0.0043	0.0000	0.0123	0.0061	0.0000	0.0228	0.0000	0.0851	0.7844	0.8441
<i>Citrobacter freundii</i> -002	0.0030	0.0000	0.0086	0.0000	0.0244	0.4241	0.0000	10.5870	0.0000	50.9381	0.7844	0.8441
<i>Coriobacteriaceae</i> bacterium WAL 18889	0.0004	0.0000	0.0012	0.0000	0.0035	0.0030	0.0000	0.0111	0.0000	0.0415	0.7844	0.8441

<i>Dorea formicigenerans</i> ATCC 27755	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.0012	0.0000	0.0044	0.0000	0.0166	0.7844	0.8441
<i>Slackia</i> sp. NATTS	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0166	0.0000	0.0622	0.0000	0.2326	0.7844	0.8441
Uncultured Bacteroidales bacterium-001	0.0213	0.0000	0.0602	0.0000	0.1704	0.0741	0.0000	0.2772	0.0000	10.0370	0.7844	0.8441
Uncultured Clostridiales bacterium-004	0.0305	0.0000	0.0862	0.0000	0.2438	0.0209	0.0000	0.0783	0.0000	0.2928	0.7844	0.8441
Uncultured bacterium- 055	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0006	0.0000	0.0022	0.0000	0.0080	0.7844	0.8441
Uncultured bacterium- 084	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0003	0.0000	0.0010	0.0000	0.0038	0.7844	0.8441
Uncultured bacterium- 125	0.0003	0.0000	0.0008	0.0000	0.0024	0.0009	0.0000	0.0034	0.0000	0.0125	0.7844	0.8441
Uncultured bacterium- 147	0.0005	0.0000	0.0014	0.0000	0.0041	0.4491	0.0000	10.6805	0.0000	60.2880	0.7844	0.8441
Uncultured organism- 068	0.0013	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0095	0.0000	0.0354	0.0000	0.1326	0.7844	0.8441
{Unknown Class} Firmicutes	0.0004	0.0000	0.0011	0.0000	0.0032	0.0003	0.0000	0.0011	0.0000	0.0043	0.7844	0.8441
<i>Escherichia coli</i>	30.4217	0.0023	90.5343	0.0000	270.0160	0.2326	0.0000	0.7372	0.0000	20.7790	0.7942	0.8524
<i>Bacteroides ovatus</i> CL02T12C04	0.0515	0.0091	0.1240	0.0000	0.3580	0.2456	0.0137	0.5138	0.0000	10.8153	0.8082	0.8652
Uncultured organism- 016	0.0127	0.0000	0.0336	0.0000	0.0956	0.0058	0.0000	0.0145	0.0000	0.0490	0.8163	0.8715
Human gut metagenome- 014	0.1444	0.0616	0.1775	0.0000	0.5041	0.4010	0.0386	0.8761	0.0000	30.1561	0.8638	0.9065
Uncultured organism- 040	0.1457	0.1015	0.1317	0.0000	0.3396	0.1600	0.0777	0.1957	0.0000	0.6063	0.8638	0.9065
Uncultured bacterium- 151	0.0009	0.0000	0.0025	0.0000	0.0071	0.0165	0.0000	0.0559	0.0000	0.2097	0.8638	0.9065
Uncultured bacterium- 072	0.3698	0.3256	0.1996	0.0756	0.6552	0.4351	0.3437	0.4565	0.0000	10.4642	0.8645	0.9065
Uncultured bacterium- 102	30.5033	30.3674	10.5187	10.4416	60.3305	40.4838	20.7213	40.5730	0.3298	150.1725	0.8645	0.9065
Uncultured organism- 002	40.4816	40.1118	30.8750	0.6607	10.6480	60.7463	40.4352	70.5390	0.0166	230.7757	0.8645	0.9065
Uncultured organism- 031	0.9982	0.9631	0.6206	0.2015	10.8315	10.5140	0.7286	20.0064	0.0583	70.2688	0.8645	0.9065
Uncultured bacterium- 061	0.0087	0.0048	0.0136	0.0000	0.0405	0.0100	0.0071	0.0118	0.0000	0.0344	0.9156	0.9573
Uncultured bacterium- 136	0.1572	0.0399	0.2927	0.0000	0.8593	0.2097	0.0120	0.4344	0.0000	10.5090	0.9176	0.9573
<i>Bifidobacterium longum</i> subsp. longum	0.1762	0.0330	0.3855	0.0000	10.1229	0.2533	0.0189	0.6268	0.0000	20.3427	0.9442	0.9728
<i>Achromobacter</i> xylosoxidans	0.0341	0.0000	0.0963	0.0000	0.2724	0.0238	0.0000	0.0694	0.0000	0.2534	0.9544	0.9728
<i>Bacteroides salyersiae</i> CL02T12C01	0.1508	0.0000	0.4264	0.0000	10.2062	0.0479	0.0000	0.1531	0.0000	0.5718	0.9544	0.9728
<i>Blautia stercoris</i>	0.0021	0.0000	0.0059	0.0000	0.0168	0.0020	0.0000	0.0062	0.0000	0.0231	0.9544	0.9728
<i>Oscillospiraceae</i> bacterium VE202-24	0.0030	0.0000	0.0086	0.0000	0.0244	0.0008	0.0000	0.0022	0.0000	0.0076	0.9544	0.9728
Uncultured bacterium- 042	0.0156	0.0000	0.0442	0.0000	0.1251	0.0142	0.0000	0.0458	0.0000	0.1711	0.9544	0.9728
Uncultured bacterium- 124	0.0006	0.0000	0.0017	0.0000	0.0049	0.1509	0.0000	0.5635	0.0000	20.1086	0.9544	0.9728
Uncultured bacterium- 137	0.0010	0.0000	0.0029	0.0000	0.0081	0.1314	0.0000	0.4906	0.0000	10.8359	0.9544	0.9728
{Unknown Genus} Ruminococcaceae	0.0125	0.0000	0.0353	0.0000	0.0997	0.0088	0.0000	0.0318	0.0000	0.1191	0.9544	0.9728
<i>Bacteroides</i> sp. DSM 12148	0.0024	0.0000	0.0057	0.0000	0.0163	0.0029	0.0000	0.0071	0.0000	0.0251	0.9629	0.9728
Uncultured organism- 008	0.0016	0.0000	0.0037	0.0000	0.0106	0.0038	0.0000	0.0102	0.0000	0.0377	0.9629	0.9728



[illegible]



[illegible]

[illegible]

<i>Uncultured rumen bacterium-008</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured rumen bacterium-009</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Uncultured rumen bacterium-013</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Unidentified marine bacterioplankton</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Unidentified-001</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Unidentified-003</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Unidentified-005</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Veillonella</i> sp. oral clone VeillF3	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
<i>Victivallis vadensis</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Genus} <i>Porphyromonadaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Genus} <i>Puniceicoccaceae</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Species} <i>Alistipes</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Species} <i>Desulfovibrio</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Species} <i>Lachnospira</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Species} <i>Odoribacter</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA
{Unknown Species} <i>Prevotella</i>	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	NA	NA

SD—standard deviation; NA—not available; *p*-value—calculated with the non-parametric Mann–Whitney test; *p*-adj.—*p* values adjusted with Benjamini–Hochberg FDR for multiple comparisons; red font—statistically significant results ( $p < 0.05$ ).