

Supplemental Table S5: Diversity parameters of the 96 EST-SNPs genotyped in the 668 non-redundant genotypes*

Locus	N	N_{avg}	N_e	I	H_o	H_e	MAF	PIC^{**}
EContig10374	668	2,000	1,774	0,628	0,502	0,436	0,47231	0,341
EContig10531	668	2,000	1,994	0,692	0,523	0,498	0,25187	0,374
EContig10539	668	2,000	1,782	0,631	0,522	0,439	0,47754	0,343
EContig10640	666	2,000	1,812	0,640	0,495	0,448	0,31811	0,348
EContig10787_1	668	2,000	1,800	0,637	0,499	0,444	0,38323	0,346
EContig1180_2	664	2,000	1,894	0,665	0,478	0,472	0,43413	0,361
EContig12203_1	630	2,000	1,764	0,625	0,352	0,433	0,38906	0,339
EContig12584	667	2,000	1,997	0,693	0,563	0,499	0,32111	0,375
EContig1263	666	2,000	1,734	0,615	0,462	0,423	0,3735	0,334
EContig1372_4	666	2,000	1,633	0,576	0,445	0,388	0,45502	0,313
EContig1634	667	2,000	1,728	0,612	0,463	0,421	0,42748	0,333
EContig1775_5	662	2,000	1,679	0,594	0,463	0,404	0,4753	0,323
EContig181_2	667	2,000	1,993	0,691	0,460	0,498	0,33308	0,374
EContig1813_3	668	2,000	1,986	0,690	0,670	0,496	0,43713	0,373
EContig1816_1	667	2,000	1,971	0,686	0,654	0,493	0,36036	0,371
EContig1839	667	2,000	1,961	0,683	0,554	0,490	0,48952	0,370
EContig188	667	2,000	1,606	0,565	0,436	0,377	0,34656	0,306
EContig1947_3	668	2,000	1,969	0,685	0,543	0,492	0,38275	0,371
EContig1962_1	668	2,000	1,880	0,661	0,565	0,468	0,38235	0,359
EContig1987_2	668	2,000	1,808	0,639	0,423	0,447	0,32485	0,347
EContig2068_2	668	2,000	2,000	0,693	0,465	0,500	0,49925	0,375
EContig2172_2	667	2,000	1,744	0,618	0,485	0,427	0,19611	0,336
EContig2305_1	666	2,000	1,955	0,682	0,483	0,489	0,45045	0,369
EContig2458_2	650	2,000	1,864	0,656	0,462	0,463	0,43713	0,356
EContig2514	668	2,000	1,967	0,685	0,507	0,492	0,38253	0,371
EContig2705_2	664	2,000	1,920	0,672	0,492	0,479	0,33757	0,364
EContig2785_2	668	2,000	1,998	0,693	0,652	0,500	0,47081	0,375
EContig2906_2	668	2,000	1,819	0,643	0,493	0,450	0,30689	0,349
EContig2937_4	667	2,000	1,401	0,460	0,295	0,286	0,35263	0,245
EContig2950_2	661	2,000	1,598	0,562	0,329	0,374	0,39752	0,304
EContig298_1	668	2,000	1,996	0,692	0,504	0,499	0,46632	0,374
EContig2998	668	2,000	1,999	0,693	0,698	0,500	0,33784	0,375
EContig3075	667	2,000	1,756	0,622	0,537	0,431	0,48503	0,338
EContig3144_2	666	2,000	1,856	0,654	0,373	0,461	0,25655	0,355
EContig3225_1	667	2,000	1,983	0,689	0,573	0,496	0,4512	0,373
EContig3597_1	668	2,000	1,462	0,496	0,327	0,316	0,32175	0,266
EContig3889	668	2,000	1,993	0,691	0,519	0,498	0,28097	0,374
EContig3935_2	668	2,000	1,958	0,682	0,480	0,489	0,30885	0,370
EContig4112	668	2,000	2,000	0,693	0,525	0,500	0,42665	0,375
EContig4297_2	668	2,000	1,881	0,661	0,414	0,468	0,39955	0,359
EContig435_10	664	2,000	1,814	0,641	0,493	0,449	0,23802	0,348
EContig4380_1	611	2,000	1,997	0,692	0,649	0,499	0,39446	0,375
EContig4424_1	668	2,000	1,769	0,626	0,477	0,435	0,40344	0,340
EContig4490	649	2,000	1,618	0,570	0,388	0,382	0,31667	0,309
EContig460_6	651	2,000	1,953	0,681	0,513	0,488	0,34281	0,369

Locus	N	N_{avg}	N_e	I	H_o	H_e	MAF	PIC**
EContig465	668	2,000	1,999	0,693	0,555	0,500	0,42243	0,375
EContig4794	668	2,000	1,741	0,617	0,432	0,426	0,44378	0,335
EContig504_6	667	2,000	1,923	0,673	0,554	0,480	0,38772	0,365
EContig5140	663	2,000	1,831	0,646	0,566	0,454	0,47076	0,351
EContig515_2	666	2,000	1,953	0,681	0,600	0,488	0,42492	0,369
EContig515_3	668	2,000	1,614	0,568	0,425	0,381	0,49775	0,308
EContig5168_5	668	2,000	1,902	0,667	0,534	0,474	0,42342	0,362
EContig5183	667	2,000	1,780	0,630	0,406	0,438	0,37856	0,342
EContig5193	668	2,000	1,512	0,522	0,375	0,339	0,33458	0,281
EContig5258	655	2,000	1,960	0,683	0,476	0,490	0,36069	0,370
EContig526_2	668	2,000	1,789	0,633	0,498	0,441	0,48126	0,344
EContig5399_1	667	2,000	1,918	0,672	0,635	0,479	0,17241	0,364
EContig5478_1	668	2,000	1,897	0,666	0,453	0,473	0,34842	0,361
EContig5674_1	668	2,000	1,828	0,645	0,532	0,453	0,37575	0,350
EContig6361	665	2,000	1,841	0,649	0,523	0,457	0,37725	0,352
EContig6479	668	2,000	1,570	0,549	0,390	0,363	0,45808	0,297
EContig6629	667	2,000	1,889	0,663	0,482	0,471	0,36462	0,360
EContig6851	668	2,000	1,693	0,599	0,472	0,409	0,37425	0,326
EContig695_2	666	2,000	1,980	0,688	0,468	0,495	0,32384	0,372
EContig698_3	666	2,000	1,981	0,688	0,495	0,495	0,28668	0,373
EContig6995	667	2,000	1,975	0,687	0,567	0,494	0,3203	0,372
EContig7442_2	665	2,000	1,995	0,692	0,532	0,499	0,34522	0,374
EContig749_1	664	2,000	2,000	0,693	0,549	0,500	0,30405	0,375
EContig8421_1	668	2,000	1,883	0,662	0,457	0,469	0,24962	0,359
EContig845_1	668	2,000	1,966	0,684	0,567	0,491	0,25599	0,371
EContig86	661	2,000	1,896	0,665	0,452	0,473	0,36751	0,361
EContig8662	668	2,000	1,869	0,658	0,553	0,465	0,42954	0,357
EContig894_1	644	2,000	1,921	0,672	0,285	0,479	0,44003	0,364
EContig8993_1	666	2,000	1,953	0,681	0,550	0,488	0,43563	0,369
EContig9136_3	668	2,000	1,915	0,671	0,484	0,478	0,33886	0,364
EContig9157_1	667	2,000	1,649	0,583	0,440	0,394	0,32784	0,316
EContig9302_3	668	2,000	1,803	0,638	0,428	0,445	0,47594	0,346
EContig9302_4	665	2,000	1,772	0,627	0,518	0,436	0,4274	0,341
EContig9677	668	2,000	1,995	0,692	0,487	0,499	0,47305	0,374
EContig9922_3	668	2,000	1,969	0,685	0,549	0,492	0,26276	0,371
IContig1226_3	668	2,000	1,958	0,682	0,492	0,489	0,48653	0,370
IContig125_1	662	2,000	1,775	0,628	0,448	0,437	0,38623	0,341
IContig1260_3	667	2,000	1,990	0,691	0,699	0,498	0,42192	0,374
IContig19_3	668	2,000	1,904	0,668	0,516	0,475	0,42665	0,362
IContig2083_2	668	2,000	1,887	0,663	0,456	0,470	0,42954	0,360
IContig2350_3	667	2,000	1,961	0,683	0,518	0,490	0,39759	0,370
IContig257_8	667	2,000	1,908	0,669	0,493	0,476	0,482	0,363
IContig2640_3	663	2,000	1,895	0,665	0,617	0,472	0,3973	0,361
IContig2753_2	668	2,000	1,957	0,682	0,610	0,489	0,49548	0,369
IContig2783_3	668	2,000	1,991	0,691	0,644	0,498	0,46477	0,374
IContig2981_4	668	2,000	1,928	0,674	0,478	0,481	0,40719	0,366
IContig3160_2	664	2,000	1,858	0,654	0,519	0,462	0,30135	0,355

Locus	N	N_{avg}	N_e	I	H_o	H_e	MAF	PIC**
IContig353	659	2,000	1,826	0,645	0,485	0,452	0,31334	0,350
IContig3651	668	2,000	1,995	0,692	0,601	0,499	0,21557	0,374
IContig52_2	668	2,000	1,933	0,676	0,625	0,483	0,26987	0,366
IContig667_1	667	2,000	1,780	0,630	0,448	0,438	0,32459	0,342
MEAN	664,9	2,000	1,862	0,652	0,501	0,460	0,380	0,353

*N = Number of non-redundant genotypes ; N_{avg} = Average number of observed alleles ; N_e = Number of effective alleles ; I = Shannon's Information Index ; H_o = Observed Heterozygosity ; H_e = Expected Heterozygosity ; MAF = Minor Allele Frequency ; PIC = Polymorphic Information Content ;

**Calculated by CERVUS v.3.0 software following Marshall *et al.* (1998) [72], while the rest of the data were calculated by GenAlex 6.5 software following Peakall and Smouse (2012) [71].