

Supplementary Table S2. Heritability, genetic and phenotypic correlations of growth and linear type traits.

Trait	BW	WW	180DW	preADG	postADG	sixADG	BCS	TS	RLRV	GRRV	RW	RLW	RLFA	GRSV	RLSV	BL	CW
BW	.39(.12)	.32(.04)	.34(.04)	.16(.04)	.30(.04)	.26(.04)	.21(.04)	.28(.04)	.10(.04)	.19(.04)	.13(.04)	-.11(.04)	.03(.04)	.17(.04)	.09(.04)	.22(.04)	.14(.04)
WW	.88(.13)	.38(.13)	.85(.04)	.98(.03)	.34(.03)	.84(.00)	.30(.04)	.60(.04)	.18(.04)	.50(.04)	.42(.04)	-.03(.04)	-.10(.04)	.50(.04)	.08(.04)	.53(.04)	.43(.04)
180DW	.96(.13)	.92(.04)	.52(.13)	.83(.02)	.75(.03)	.99(.00)	.38(.04)	.67(.03)	.24(.04)	.56(.04)	.48(.04)	.05(.04)	.00(.04)	.56(.04)	.08(.04)	.66(.04)	.53(.04)
preADG	.60(.19)	.99(.01)	.95(.01)	.29(.12)	.31(.04)	.84(.02)	.29(.04)	.58(.04)	.17(.04)	.49(.04)	.42(.04)	-.01(.04)	-.10(.04)	.51(.04)	.06(.04)	.52(.04)	.43(.04)
postADG	.71(.14)	.69(.17)	.96(.03)	.77(.14)	.51(.13)	.75(.04)	.29(.04)	.47(.04)	.21(.04)	.38(.04)	.33(.04)	.08(.04)	.08(.04)	.39(.04)	.08(.04)	.50(.04)	.39(.04)
sixADG	.83(.16)	.96(.01)	1.00(.00)	.96(.01)	.97(.02)	.51(.13)	.38(.04)	.66(.03)	.24(.04)	.56(.04)	.49(.04)	.06(.04)	.00(.04)	.57(.04)	.08(.04)	.66(.04)	.53(.04)
BCS	.62(.18)	.72(.13)	.94(.12)	.74(.14)	.91(.21)	.97(.12)	.32(.12)	.45(.04)	.06(.04)	.47(.04)	.45(.04)	.01(.04)	.01(.04)	.35(.04)	.00(.04)	.34(.04)	.46(.04)
TS	.75(.15)	.91(.05)	.91(.04)	.90(.05)	.81(.09)	.91(.04)	.80(.08)	.50(.13)	.15(.04)	.71(.04)	.67(.04)	-.02(.04)	-.05(.04)	.60(.04)	.06(.04)	.63(.04)	.63(.04)
RLRV	.30(.17)	.49(.15)	.64(.16)	.51(.17)	.58(.17)	.65(.16)	.21(.19)	.41(.16)	.26(.11)	.09(.04)	.03(.04)	.17(0.04)	.13(.04)	.04(.04)	.12(.04)	.15(.04)	.08(.04)
GRRV	.59(.18)	.89(.07)	.91(.06)	.90(.07)	.86(.12)	.92(.06)	.96(.07)	.91(.03)	.33(.19)	.30(.12)	.72(.04)	.03(.04)	-.02(.04)	.65(.03)	.04(.04)	.62(.04)	.69(.03)
RW	.41(.17)	.84(.09)	.82(.07)	.88(.09)	.71(.12)	.83(.07)	.85(.08)	.87(.04)	.12(.21)	.83(.14)	.25(.11)	.10(.04)	-.03(.04)	.67(.04)	.02(.03)	.60(.03)	.71(.03)
RLW	-.25(.14)	-.02(.12)	.24(.09)	-.03(.14)	.31(.09)	.26(.10)	-.66(.25)	.04(.12)	.44(.12)	.16(.14)	.32(.15)	.52(.13)	.03(.04)	.04(.04)	.01(.04)	.19(.04)	.04(.04)
RLFA	.57(.51)	-.30(.20)	.14(.29)	-.33(.21)	.39(.32)	.14(.29)	.14(.36)	-.19(.26)	.65(.33)	-.04(.35)	-.08(.38)	.11(.28)	.39(.12)	-.09(.04)	.27(.04)	.00(.04)	-.02(.04)
GRSV	.46(.17)	.88(.07)	.87(.06)	.91(.07)	.81(.11)	.88(.06)	.83(.12)	.88(.05)	.14(.20)	.97(.03)	.96(.03)	.11(.15)	-.31(.28)	.20(.10)	.10(.04)	.67(.04)	.68(.03)
RLSV	.36(.28)	.31(.28)	.32(.28)	.32(.27)	.36(.32)	.29(.28)	-.09(.25)	.22(.24)	.78(.38)	.03(.27)	-.09(.31)	.00(.22)	.96(.14)	.31(.26)	.16(.09)	.07(.04)	.07(.04)
BL	.90(.40)	.97(.05)	.92(.04)	.98(.06)	.88(.07)	.93(.04)	.94(.13)	.92(.04)	.68(.30)	NA	.99(.04)	.59(.16)	.21(.62)	1.00(.25)	.25(.42)	.07(.07)	.62(.04)
CW	.43(.17)	.86(.09)	.81(.06)	.90(.09)	.71(.09)	.82(.07)	.79(.07)	.83(.05)	.31(.20)	.96(.03)	.92(.11)	.15(.15)	.06(.41)	.97(.03)	.23(.26)	1.00(.21)	.30(.11)

Notes: Diagonal values represent the genomic heritability of the overlapping trait where phenotypic correlations are above the diagonal and genetic correlations below the diagonal.

NA= Could not be reliably estimated.