

Supplementary Table S4: Correlation indexes of the co-expression of CRM1 and TARGET genes ($R > 0.2$; $R < -0.2$) with a significant statistically significant value ($p \leq 0.05$) in analysed colorectal carcinoma primary tumours databases. The column on the right shows the average correlation value of the databases studied.

	Colorectal Primary Tumours							Average
	Colon-omics	Jorissen	Kemper	Laibe	Marisa	Roepman	TCGA	
<i>ATR</i>	0,387	0,201	0,404	0,369	0,572	0,354	0,389	0,382
<i>BRCA1</i>	0,554		0,275	0,405	0,452	0,388	0,521	0,371
<i>EZH2</i>	0,458		0,325	0,481	0,468	0,373	0,389	0,356
<i>MSH2</i>	0,573		0,276	0,211	0,433	0,466	0,509	0,353
<i>BRCA2</i>	0,599		0,261	0,445	0,528		0,5	0,333
<i>NPM1</i>	0,486		0,312	0,269	0,35	0,215	0,27	0,272
<i>AURKA</i>	0,448			0,373	0,349	0,296	0,433	0,271
<i>MSH6</i>	0,592				0,356	0,277	0,521	0,249
<i>CDK12</i>	0,429	0,286		0,289	0,385		0,331	0,246
<i>BRAF</i>		0,201		0,366	0,518		0,613	0,243
<i>RAF1</i>		0,301	0,427	0,501	0,405			0,233
<i>ASXL1</i>		0,337	0,352	0,507	0,429			0,232
<i>CTNNB1</i>	0,4	0,228		0,214	0,231	0,345		0,203
<i>CCNE1</i>	0,294	0,209		0,324		0,257	0,33	0,202
<i>EWSR1</i>	0,4			0,437	0,221	0,25		0,187
<i>MYC</i>	0,496			0,333			0,26	0,156
<i>ATM</i>			0,245	0,227	0,272		0,247	0,142
<i>CDK4</i>	0,292			0,278			0,278	0,121
<i>CDKN1B</i>	0,273			0,276	0,296			0,121
<i>FBXW7</i>				0,253	0,365	0,224		0,120
<i>TSC1</i>		0,252		0,283	0,306			0,120
<i>NRAS</i>	0,267				0,251	0,297		0,116
<i>NF1</i>	0,235			0,273			0,286	0,113
<i>GNAS</i>			0,234	0,272	0,273			0,111
<i>PIK3CB</i>	0,259				0,306	0,212		0,111
<i>RHEB</i>			0,298		0,226	0,242		0,109
<i>SMARCA4</i>	0,399			0,347				0,107
<i>MDM4</i>				0,361	0,341			0,100
<i>RB1</i>	0,329				0,305			0,091
<i>VHL</i>	0,288						0,312	0,086
<i>RNF43</i>	0,206			0,325				0,076
<i>IDH1</i>	0,261					0,211		0,067
<i>BRD4</i>	0,268			0,2				0,067
<i>MTOR</i>	0,216		0,238					0,065
<i>HRAS</i>	0,202					0,239		0,063
<i>PIK3CA</i>					0,368			0,053
<i>MET</i>	0,36							0,051
<i>MLH1</i>	0,346							0,049
<i>NOTCH1</i>				0,321				0,046
<i>ETV4</i>				0,281				0,040
<i>CDK6</i>					0,277			0,040

KRAS			0,271		0,039
MED12					0,036
		0,251			
PTCH1		0,268			0,036
	-0,221		0,202		
PTEN			0,247		0,035
AKT1					0,035
				0,246	
CDKN2A				0,238	0,034
ETV1				0,238	0,034
SYK				-0,241	0,034
		0,273	0,206		
CCND1					0,034
	0,235				
FLCN					0,032
		0,226			
BRD2					0,031
				0,22	
JAK2					0,030
			0,207		
SMAD4			0,206		0,029
BRD3					0,025
	0,261	0,257		-0,341	
MAP2K1				0,374	0,023
		-0,216			
MEN1				-0,236	0,016
	0,347				
AKT2					0,000
ARAF					0,000
BAP1					0,000
c15orf55					0,000
CCND2					0,000
CCND3					0,000
CDH1					0,000
CEBPA					0,000
CREBBP					0,000
DNMT3A					0,000
EGFR					0,000
ERBB3					0,000
ERRFI1					0,000
ETV5					0,000
FGFR3					0,000
IGF1R					0,000
PIK3R1					0,000
SMO					0,000
TMPRSS2					0,000
TP53					0,000
WT1					0,000
ZNRF3					0,000
ABL1					-0,012

	0,248	-0,329		
MAPK1		-0,264		-0,025
	0,3		-0,21	
MDM2		-0,219		-0,031
RET				-0,033
	-0,231			
NKX2-1				-0,034
			-0,236	
IDH2				-0,035
		-0,243		
ROS1				-0,035
			-0,243	
FLT3				-0,035
	-0,247			
ERBB2	-0,249			-0,036
ERCC2				-0,036
			-0,249	
NOTCH2				-0,036
		-0,249		
STK11				-0,036
			-0,249	
CRKL				-0,036
		-0,252		
NF2				-0,039
			-0,271	
APC				-0,040
		-0,277		
ERBB4				-0,042
			-0,292	
MLL				-0,046
			-0,319	
PDGFRB				-0,047
	-0,328			
SMAD2				-0,047
	-0,334	-0,236	0,241	
AKT3				-0,048
	-0,336			
KDR				-0,050
		-0,351		
ERG				-0,056
	-0,395			
SMARCB1				-0,061
			-0,424	
NFKBIA			-0,216	-0,062
		-0,216		
ETV6				-0,064
			-0,215	-0,236
MAP3K1				-0,065
	-0,222	-0,234		
RUNX1	-0,222			-0,068
			-0,252	
TET2				-0,068

		-0,213		-0,262		
ALK		-0,294				-0,072
	-0,212					
MYD88				-0,248		-0,073
				-0,261	-0,263	
PDGFRA						-0,075
	-0,261					
KIT				-0,266		-0,076
		-0,263				
MAP2K4		-0,243		-0,292		-0,076
RAB35						-0,077
		-0,245			-0,296	
MCL1				-0,345		-0,080
		-0,217		-0,251		
EPHA3						-0,081
	-0,314					
FGFR1	-0,37					-0,087
					-0,238	
MITF	-0,357			-0,251		-0,087
RSPO2	-0,212			-0,2		-0,089
					-0,208	
MPL					-0,403	-0,092
		-0,243				
ESR1					-0,41	-0,098
					-0,279	
AR					-0,232	-0,101
		-0,215		-0,263		
GNA11		-0,219		-0,206	-0,291	-0,102
GNAQ		-0,424		-0,296		-0,103
JAK3						-0,117
	-0,221				-0,287	-0,308
DDR2	-0,362					-0,25
				-0,212		
TSC2	-0,234				-0,378	-0,126
						-0,272
NTRK3	-0,2				-0,208	-0,143
		-0,206			-0,389	
MAP2K2			-0,223		-0,351	-0,162
RARA			-0,221		-0,359	-0,171
	-0,242					-0,374
CDKN1A			-0,384	-0,32	-0,273	-0,175
				-0,382		-0,251
BCL2			-0,297		-0,209	-0,188
	-0,221	-0,207				
FGFR2	-0,466		-0,253	-0,31	-0,332	-0,236
				-0,252		
MAPK3	-0,413				-0,385	-0,246
		-0,253				-0,421
				-0,421		-0,222
CDKN2B	-0,436			-0,269		-0,29
						-0,154