

**Supplementary Table S6: Correlation indexes of the co-expression of CRM1 and TARGET genes (R > 0.2; R < - 0.2) with a significant statistically significant value ( $p \leq 0.05$ ) in all analysed tumour databases.** The column on the right shows the average correlation value of the databases studied.

	All tumours					
	Breast	Lung	Prostate	Colorectal	AML	Average
<i>MSH2</i>	0,259	0,622	0,460	0,353	0,642	0,467
<i>ATR</i>	0,188	0,532	0,297	0,382	0,554	0,391
<i>MSH6</i>	0,329	0,600	0,210	0,249	0,505	0,379
<i>BRCA1</i>	0,152	0,403	0,088	0,371	0,536	0,310
<i>EZH2</i>	0,339	0,523	0,084	0,356	0,151	0,291
<i>BRCA2</i>	0,168	0,488	0,053	0,333	0,242	0,257
<i>AURKA</i>	0,276	0,477	-0,016	0,271	0,259	0,254
<i>NPM1</i>	0,103	0,200	0,123	0,272	0,354	0,210
<i>RB1</i>	0,000	0,124	0,423	0,091	0,313	0,190
<i>NRAS</i>	0,096	0,423	0,179	0,116	0,070	0,177
<i>NF1</i>	0,000	0,152	0,221	0,113	0,359	0,169
<i>MLH1</i>	0,000	0,126	0,211	0,049	0,439	0,165
<i>BRAF</i>	0,060	0,282	0,219	0,243	-0,047	0,151
<i>PIK3CB</i>	0,044	0,284	0,172	0,111	0,136	0,149
<i>CDK12</i>	0,000	0,274	0,160	0,246	0,043	0,144
<i>ATM</i>	0,000	0,117	0,360	0,142	0,101	0,144
<i>IDH1</i>	0,000	0,256	0,096	0,067	0,290	0,142
<i>PIK3CA</i>	0,000	0,459	0,234	0,053	-0,077	0,134
<i>SMAD4</i>	0,046	0,152	0,114	0,029	0,285	0,125
<i>CCNE1</i>	0,161	0,354	-0,105	0,202	0,000	0,122
<i>CDK4</i>	0,056	0,074	0,045	0,121	0,286	0,116
<i>DNMT3A</i>	0,120	0,240	0,039	0,000	0,155	0,111
<i>MYC</i>	0,000	0,000	0,148	0,156	0,219	0,104
<i>ASXL1</i>	0,050	0,174	0,061	0,232	0,000	0,103
<i>CTNNB1</i>	0,000	0,094	0,334	0,203	-0,139	0,098
<i>PTEN</i>	-0,046	0,121	0,103	0,035	0,278	0,098
<i>CDK6</i>	0,000	0,058	-0,135	0,040	0,518	0,096
<i>MED12</i>	0,000	0,137	0,069	0,036	0,226	0,093
<i>MDM4</i>	0,000	0,000	0,251	0,100	0,111	0,092
<i>SMAD2</i>	0,000	0,108	0,190	-0,047	0,208	0,092
<i>EWSR1</i>	0,000	0,073	0,066	0,187	0,100	0,085
<i>SMARCA4</i>	0,000	0,000	0,000	0,107	0,297	0,081
<i>MAP2K4</i>	0,000	0,184	0,116	-0,076	0,170	0,079
<i>KRAS</i>	0,055	0,171	0,207	0,039	-0,089	0,077
<i>GNAQ</i>	0,000	0,000	0,200	-0,103	0,255	0,070
<i>BRD3</i>	0,000	0,075	-0,022	0,025	0,266	0,069
<i>MEN1</i>	0,000	0,087	-0,092	0,016	0,329	0,068
<i>CRKL</i>	0,000	0,132	0,109	-0,036	0,135	0,068
<i>IDH2</i>	0,042	0,068	0,068	-0,035	0,190	0,067
<i>RHEB</i>	0,124	0,083	0,118	0,109	-0,135	0,060

<b>NOTCH2</b>	0,000	0,061	0,273	-0,036	0,000	0,060
<b>GNAS</b>	0,051	0,068	0,063	0,111	0,005	0,060
<b>TP53</b>	0,000	-0,055	0,000	0,000	0,347	0,058
<b>MAPK1</b>	0,000	0,135	0,177	-0,025	0,000	0,057
<b>MTOR</b>	0,000	-0,032	-0,050	0,065	0,280	0,053
<b>CDKN1B</b>	0,000	0,097	0,171	0,121	-0,131	0,052
<b>JAK2</b>	0,000	0,006	0,166	0,030	0,000	0,040
<b>ETV6</b>	0,044	0,055	0,046	-0,064	0,104	0,037
<b>PIK3R1</b>	-0,042	-0,070	0,154	0,000	0,119	0,032
<b>APC</b>	-0,055	0,057	0,197	-0,040	0,001	0,032
<b>FBXW7</b>	0,000	-0,066	0,369	0,120	-0,286	0,027
<b>TSC1</b>	0,000	-0,003	0,018	0,120	0,000	0,027
<b>KIT</b>	-0,052	-0,072	0,052	-0,076	0,254	0,021
<b>MET</b>	0,000	0,000	0,052	0,051	0,000	0,021
<b>ERBB2</b>	0,000	0,090	-0,139	-0,036	0,188	0,021
<b>ZNRF3</b>	0,000	0,000	-0,064	0,000	0,166	0,020
<b>RAF1</b>	0,000	0,198	0,161	0,233	-0,494	0,020
<b>CDKN2A</b>	0,000	0,163	-0,100	0,034	0,000	0,019
<b>VHL</b>	-0,045	0,074	0,175	0,086	-0,200	0,018
<b>CDH1</b>	0,000	0,000	0,083	0,000	0,000	0,017
<b>BRD2</b>	0,000	0,060	0,143	0,031	-0,165	0,014
<b>RNF43</b>	0,000	0,060	-0,068	0,076	0,000	0,014
<b>MAP3K1</b>	-0,062	0,000	0,189	-0,065	0,000	0,012
<b>MDM2</b>	0,000	-0,062	0,150	-0,031	-0,020	0,007
<b>TET2</b>	0,000	0,000	0,213	-0,068	-0,119	0,005
<b>PTCH1</b>	0,000	0,000	0,089	0,036	-0,103	0,004
<b>FGFR3</b>	0,000	0,000	-0,104	0,000	0,117	0,003
<b>SYK</b>	0,000	-0,071	0,040	0,034	0,000	0,001
<b>c15orf55</b>	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
<b>FLCN</b>	0,045	0,096	0,000	0,032	-0,180	-0,001
<b>ERCC2</b>	0,000	-0,122	-0,134	-0,036	0,283	-0,002
<b>NF2</b>	-0,042	0,047	0,001	-0,039	0,000	-0,007
<b>FLT3</b>	0,000	-0,301	-0,026	-0,035	0,328	-0,007
<b>RUNX1</b>	-0,046	-0,218	-0,048	-0,068	0,337	-0,009
<b>MLL</b>	0,000	0,000	0,000	-0,046	0,000	-0,009
<b>BCL2</b>	0,000	-0,181	0,000	-0,188	0,321	-0,010
<b>CCND2</b>	0,000	-0,249	0,196	0,000	0,000	-0,011
<b>ETV5</b>	0,000	-0,055	0,000	0,000	0,000	-0,011
<b>PDGFRA</b>	-0,057	-0,146	0,209	-0,075	0,000	-0,014
<b>EGFR</b>	0,045	-0,066	-0,050	0,000	0,000	-0,014
<b>SMARCB1</b>	0,000	0,100	-0,260	-0,061	0,148	-0,015
<b>ERRFI1</b>	0,040	0,000	0,049	0,000	-0,170	-0,016
<b>IGF1R</b>	0,000	0,000	-0,085	0,000	0,000	-0,017
<b>NOTCH1</b>	0,000	-0,059	0,035	0,046	-0,110	-0,018
<b>AKT1</b>	-0,103	0,085	-0,050	0,035	-0,062	-0,019
					0,000	-0,020

<i>ETV4</i>	0,000	-0,060	-0,095	0,040	0,000	-0,023
<i>EPHA3</i>	-0,054	-0,056	0,066	-0,081	0,000	-0,025
<i>CREBBP</i>	0,063	0,059	0,143	0,000	-0,404	-0,028
<i>ETV1</i>	-0,051	-0,128	0,000	0,034	0,000	-0,029
<i>KDR</i>	-0,044	-0,120	0,054	-0,050	0,000	-0,032
<i>MAP2K1</i>	0,000	0,066	0,065	0,023	-0,323	-0,034
<i>AKT3</i>	-0,061	-0,056	0,114	-0,048	-0,120	-0,034
<i>BRD4</i>	0,000	-0,089	-0,001	0,067	-0,152	-0,035
<i>TSC2</i>	-0,042	-0,058	0,045	-0,126	-0,003	-0,037
<i>DDR2</i>	-0,154	-0,170	0,253	-0,118	0,000	-0,038
<i>WT1</i>	0,000	-0,095	-0,099	0,000	0,000	-0,039
<i>RET</i>	0,000	0,000	-0,046	-0,033	-0,116	-0,039
<i>ALK</i>	0,051	-0,086	-0,111	-0,072	0,000	-0,044
<i>CCND1</i>	-0,156	-0,051	-0,056	0,034	0,000	-0,046
<i>ERBB3</i>	-0,041	0,000	-0,198	0,000	0,000	-0,048
<i>NKX2-1</i>	0,000	-0,118	-0,091	-0,034	0,000	-0,049
<i>ESR1</i>	0,000	-0,213	0,066	-0,098	0,000	-0,049
<i>SMO</i>	0,000	-0,020	-0,230	0,000	0,000	-0,050
<i>MCL1</i>	0,000	-0,088	0,136	-0,080	-0,219	-0,050
<i>AR</i>	-0,044	-0,116	0,007	-0,101	0,000	-0,051
<i>MPL</i>	0,000	-0,170	0,000	-0,092	0,000	-0,053
<i>TMPRSS2</i>	0,000	-0,163	-0,125	0,000	0,000	-0,058
<i>MITF</i>	-0,172	-0,066	0,035	-0,087	0,000	-0,058
<i>RSPO2</i>	0,000	-0,165	-0,040	-0,089	0,000	-0,059
<i>ERBB4</i>	0,000	-0,206	-0,054	-0,042	0,000	-0,060
<i>CEBPA</i>	-0,040	-0,194	-0,195	0,000	0,110	-0,064
<i>HRAS</i>	0,000	0,120	-0,270	0,063	-0,240	-0,065
<i>STK11</i>	0,000	-0,183	-0,127	-0,036	-0,016	-0,072
<i>FGFR2</i>	0,000	-0,140	0,000	-0,236	0,000	-0,075
<i>CDKN2B</i>	0,000	-0,144	-0,123	-0,154	0,000	-0,084
<i>AKT2</i>	-0,042	-0,063	-0,119	0,000	-0,198	-0,085
<i>MYD88</i>	0,000	-0,085	0,042	-0,073	-0,324	-0,088
<i>FGFR1</i>	-0,048	-0,075	-0,142	-0,087	-0,102	-0,091
<i>PDGFRB</i>	-0,216	-0,340	0,133	-0,047	0,000	-0,094
<i>BAP1</i>	0,000	-0,064	-0,107	0,000	-0,310	-0,096
<i>NFKBIA</i>	0,000	0,000	-0,039	-0,062	-0,455	-0,111
<i>ERG</i>	-0,104	-0,358	-0,042	-0,056	0,000	-0,112
<i>RAB35</i>	0,040	-0,123	0,000	-0,077	-0,406	-0,113
<i>GNA11</i>	-0,099	-0,291	0,049	-0,102	-0,135	-0,116
<i>NTRK3</i>	0,000	-0,434	-0,037	-0,143	0,000	-0,123
<i>CCND3</i>	0,000	-0,146	-0,292	0,000	-0,209	-0,129
<i>JAK3</i>	0,000	-0,222	-0,179	-0,117	-0,151	-0,134
<i>MAP2K2</i>	-0,056	0,112	-0,288	-0,162	-0,342	-0,147
<i>ARAF</i>	-0,126	-0,137	-0,085	0,000	-0,432	-0,156
<i>MAPK3</i>	-0,052	-0,184	-0,048	-0,246	-0,529	-0,212
					-0,379	-0,217